

7

ARBRES DE RECHERCHE

PLAN

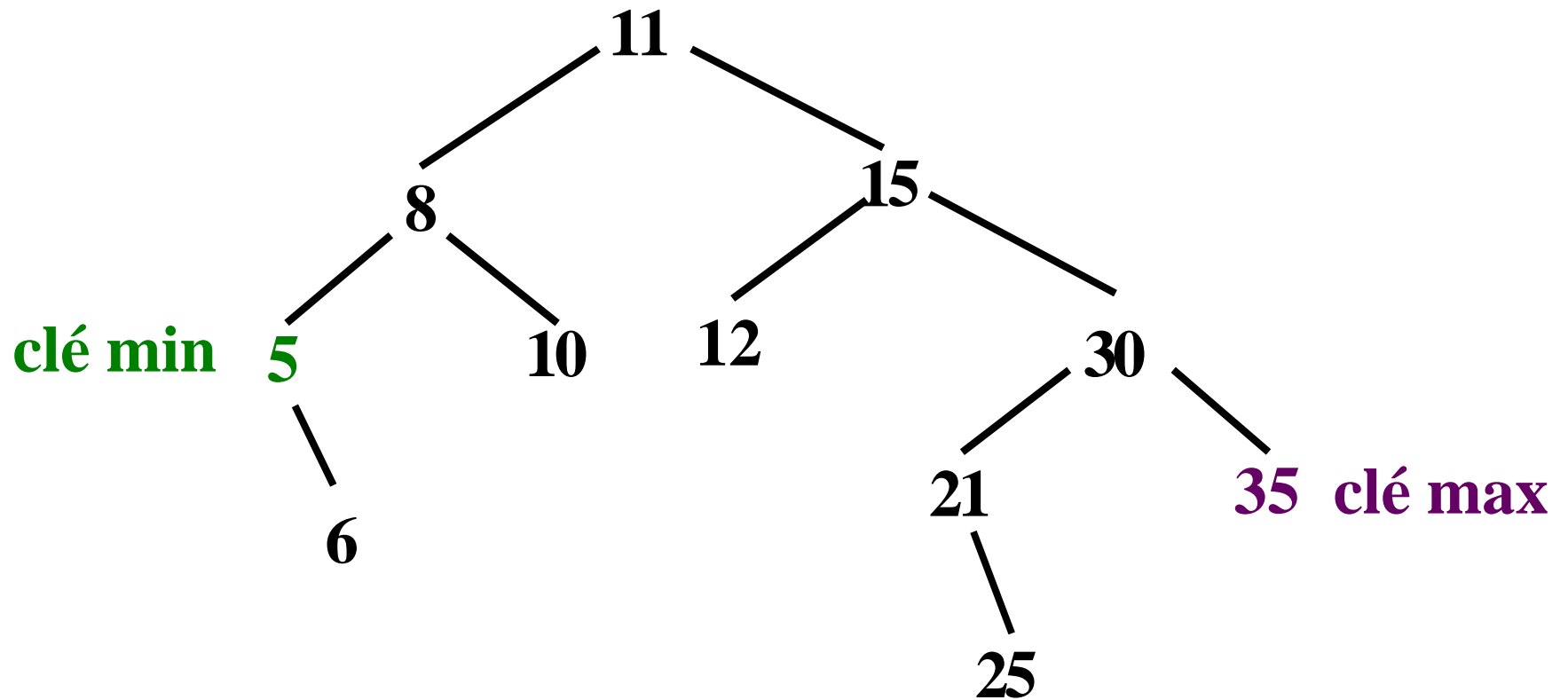
- Arbres binaires de recherche
- Arbre h-équilibrés
- Arbres balancés (b-arbres)
- Fichiers séquentiels indexés

7.1 ARBRES BINAIRES DE RECHERCHE

Définition

Arbre binaire tel qu'en tout nœud la clé du nœud est supérieure à celle de tous ses descendants de gauche et inférieure à celle de tous ses descendants de droite

EXEMPLE



ABR: **structures de données pour grands
volumes variables d'informations
structures dynamiques (pointeurs)**

Arbre binaire a

a.g = sous-arbre de gauche de racine(a)

a.d = sous-arbre de droite de racine(a)

Clés une donnée → une clé

{clés} ensemble totalement ordonné

```
classe ABR {  
  Ccle cle;  
  Elt element;  
  ABR gauche;  
  ABR droit;  
  ABR (Ccle c, Elt e, Arbre g, Arbre d){  
    this.cle = c;  
    this.element = e;  
    this.gauche = g;  
    this.droit = d;  
  }  
  //les méthodes}
```

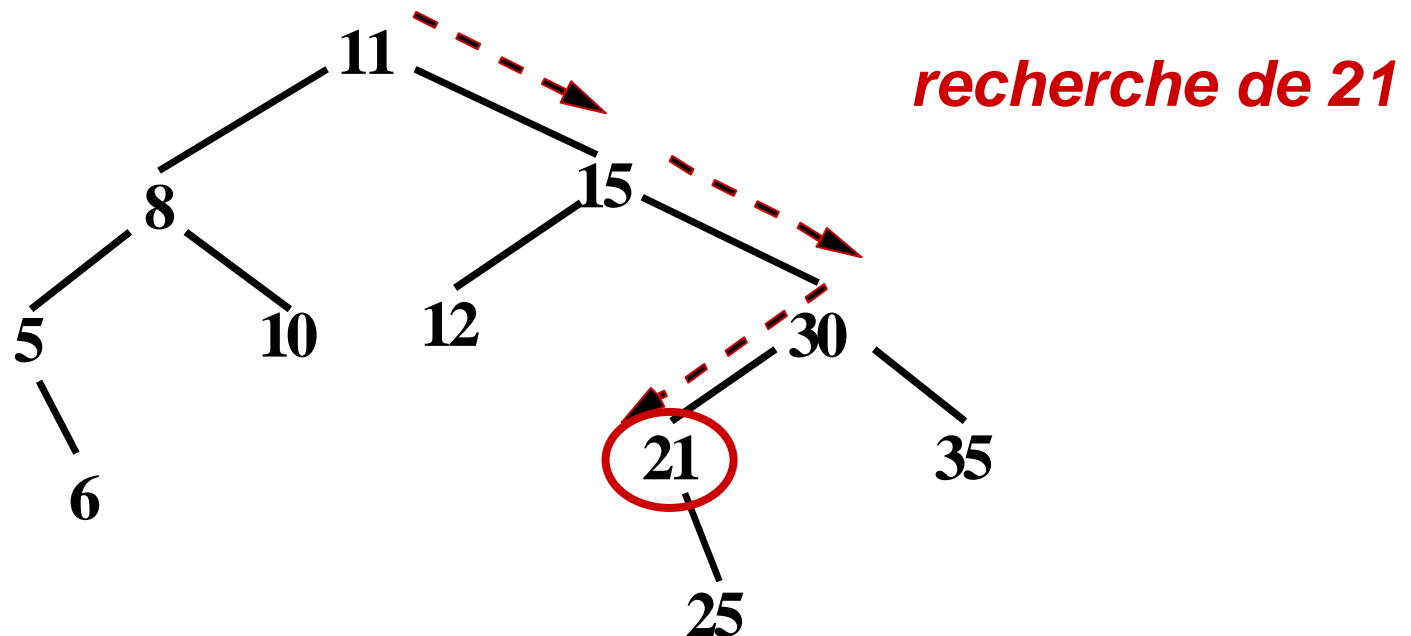
opérations sur un arbre ABR:

- recherche
- adjonction
- suppression d'un élément e de clé c
- concaténation de 2 arbres en 1 arbre
- scission d'un arbre en 2 sous-arbres

recherche dichotomique:

descente de l'arborescence avec
comparaison en chaque nœud

EXEMPLE



principe de la recherche de l'élément e de clé c dans l'arbre a

précondition: $c \in a$

recherche(c,a,e)

si $c == a.clé$

alors $e = a.element$

//élément de la racine de a

sinon si $c < a.cle$

alors recherche(c,a.gauche,e)

sinon recherche(c,a.droit,e)

finsi

complexité: $O(h(a))$

finsi

recherche de l'élément de clé c dans l'arbre a

Elt recherche (c CCle; a ABR; e Elt)

debut

si **c == a.cle** ;

alors retourner a.element ;

sinon

si **c < a.cle** et **a.gauche=∅**

ou **c > a.cle** et **a.droit =∅**

alors "élément absent";

sinon si **c < a.cle**

alors retourner recherche(c,a.gauche)

sinon retourner recherche(c,a.droit)

finsi;

finsi;

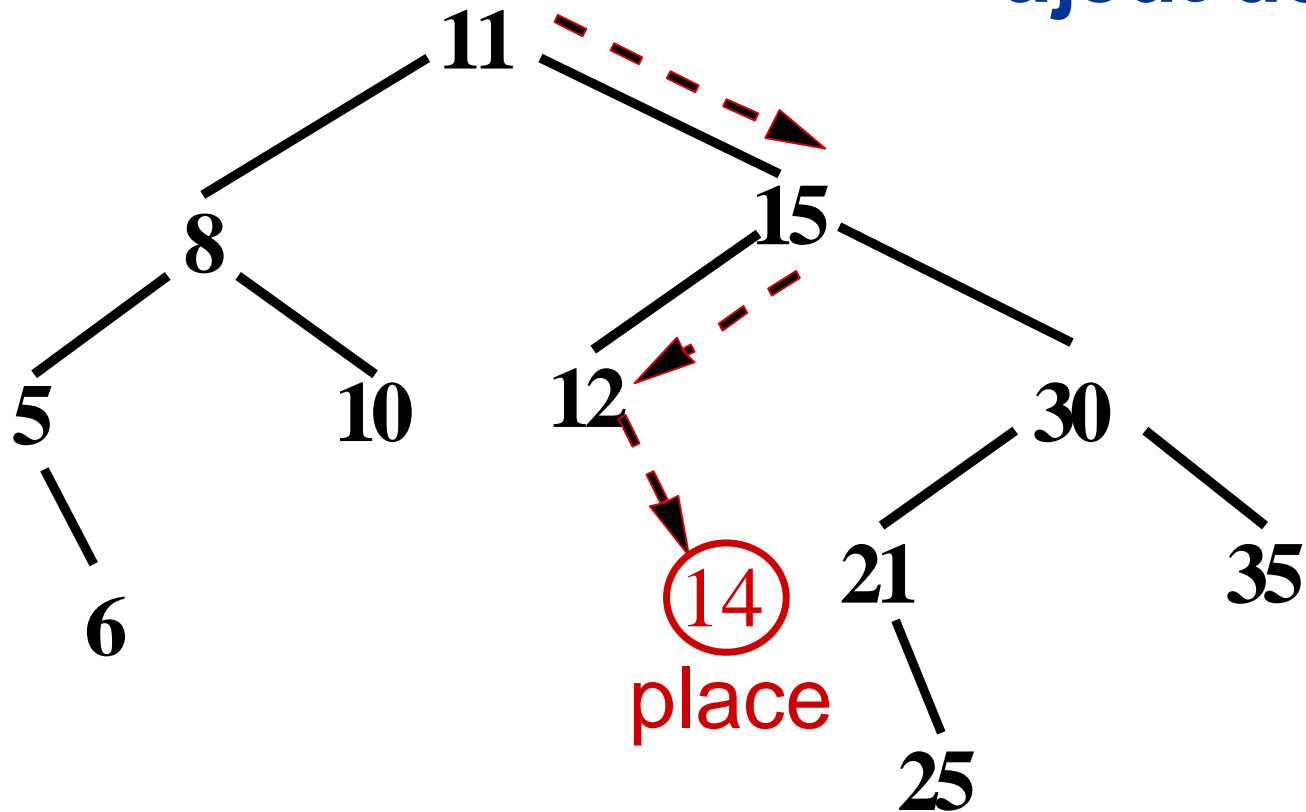
finsi;

fin

ADJONCTION D'UNE FEUILLE

EXEMPLE

ajout de 14



complexité: $O(h(a))$

adjonction dans a d'un élément e de clé c

ABR ajouter (ABR a, Elt e, CCle c)

b=a;

si b = \emptyset alors b=new ABR (c, e, \emptyset , \emptyset) ;

sinon tant que non place_trouvée faire

 si b.cle == c alors "erreur" //élément déjà présent

 si b.cle > c

 alors //descendre à gauche

 si b.gauche == \emptyset alors place_trouvée=vrai //fils gauche de b

 b.gauche=new ABR (c, e, \emptyset , \emptyset) ;

 sinon b = b.gauche; finsi;

 sinon //descendre à droite

 si b.droit == \emptyset alors place_trouvée=vrai //fils droit

 b.droit=new ABR (c, e, \emptyset , \emptyset) ;

 sinon b =b.droit; finsi;

 finsi;

fait;

retourner b;

finsi;

Appel: a=ajouter(a,e,c);

suppression d'un nœud N

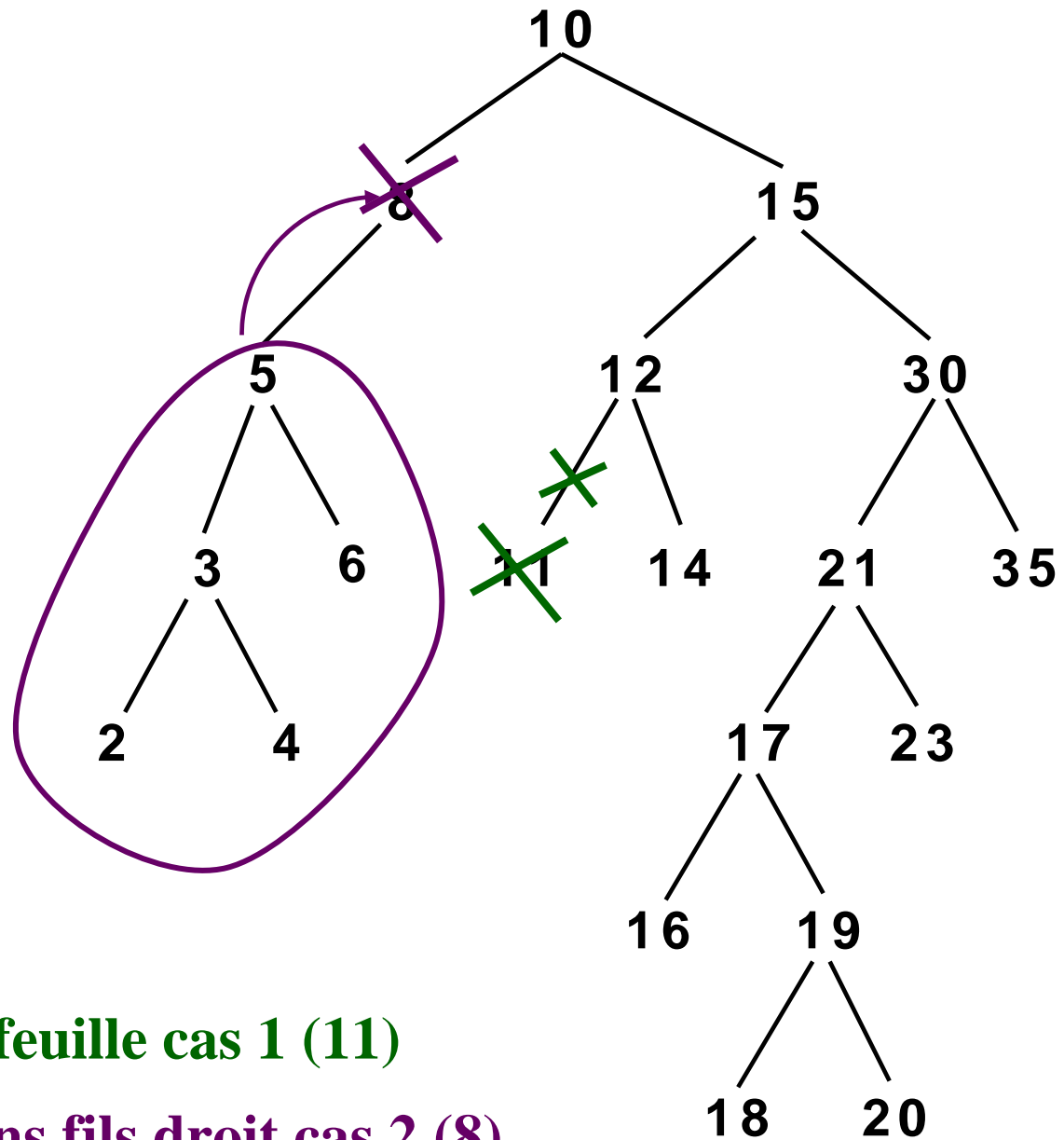
cas 1: N est une feuille

cas 2: N a un seul fils F

cas 3: N a 2 fils

*(2 cas *cas 3-1 cas 3-2*)*

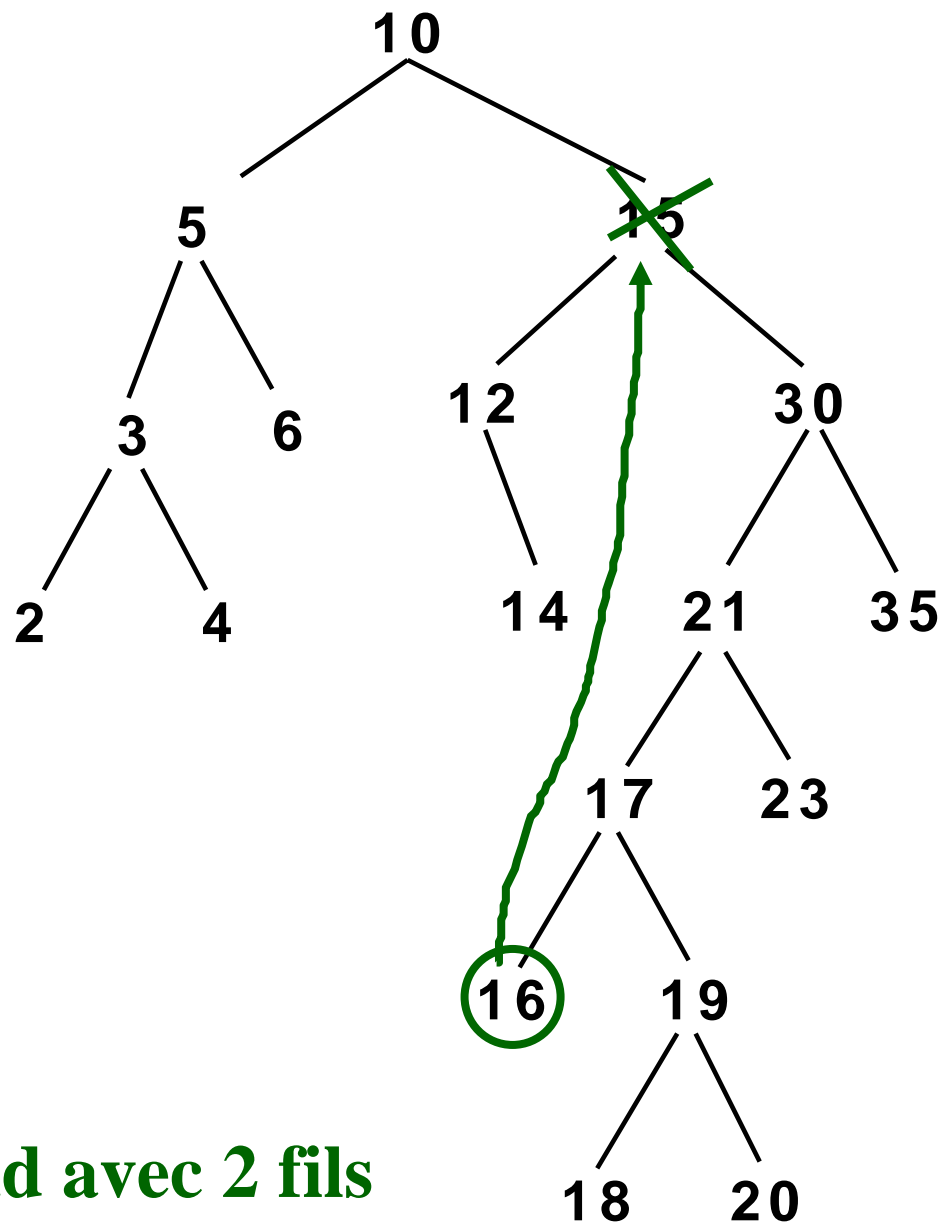
EXEMPLE



suppression d'une feuille cas 1 (11)

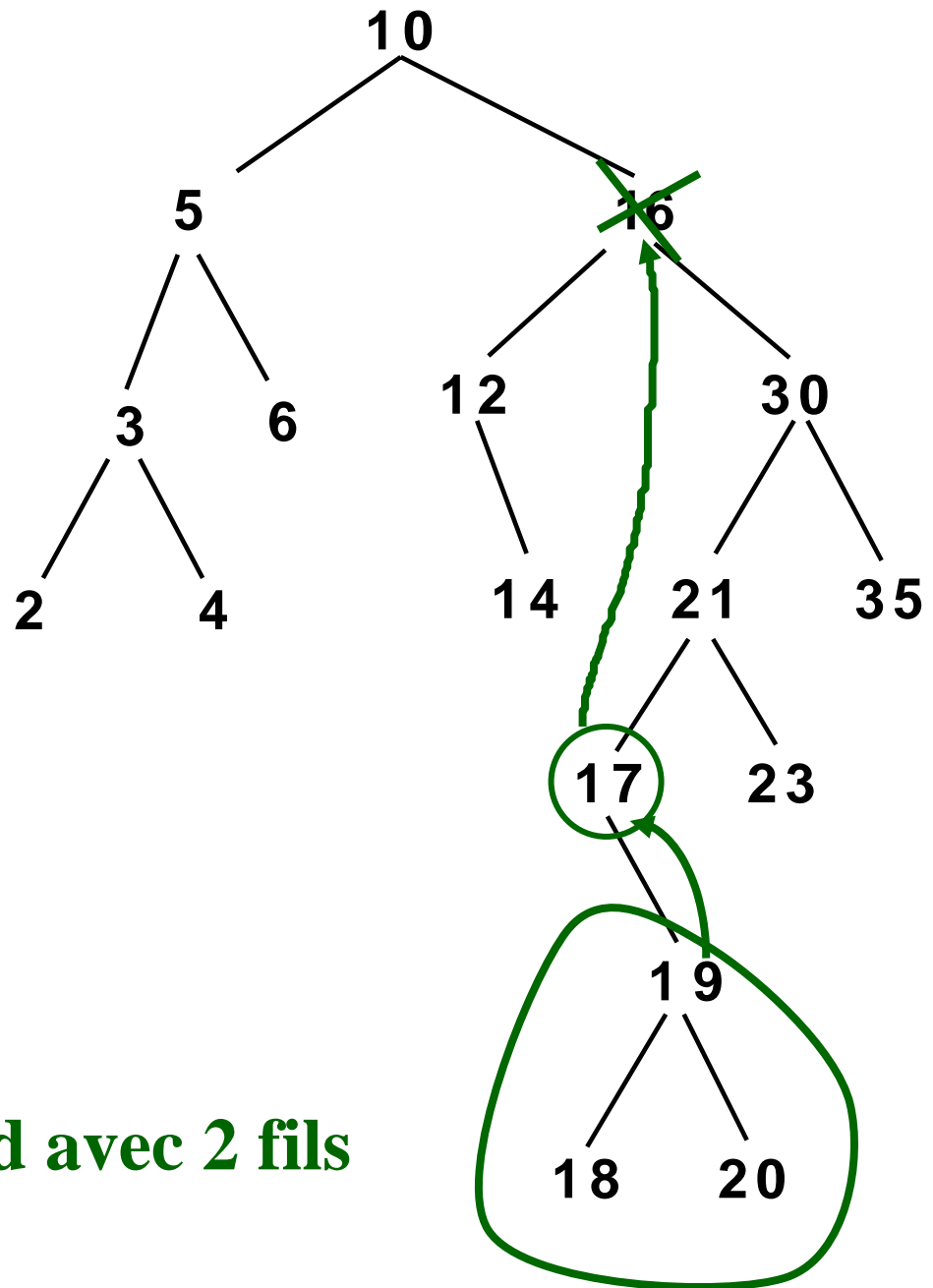
sup. d'un nœud sans fils droit cas 2 (8)

EXEMPLE



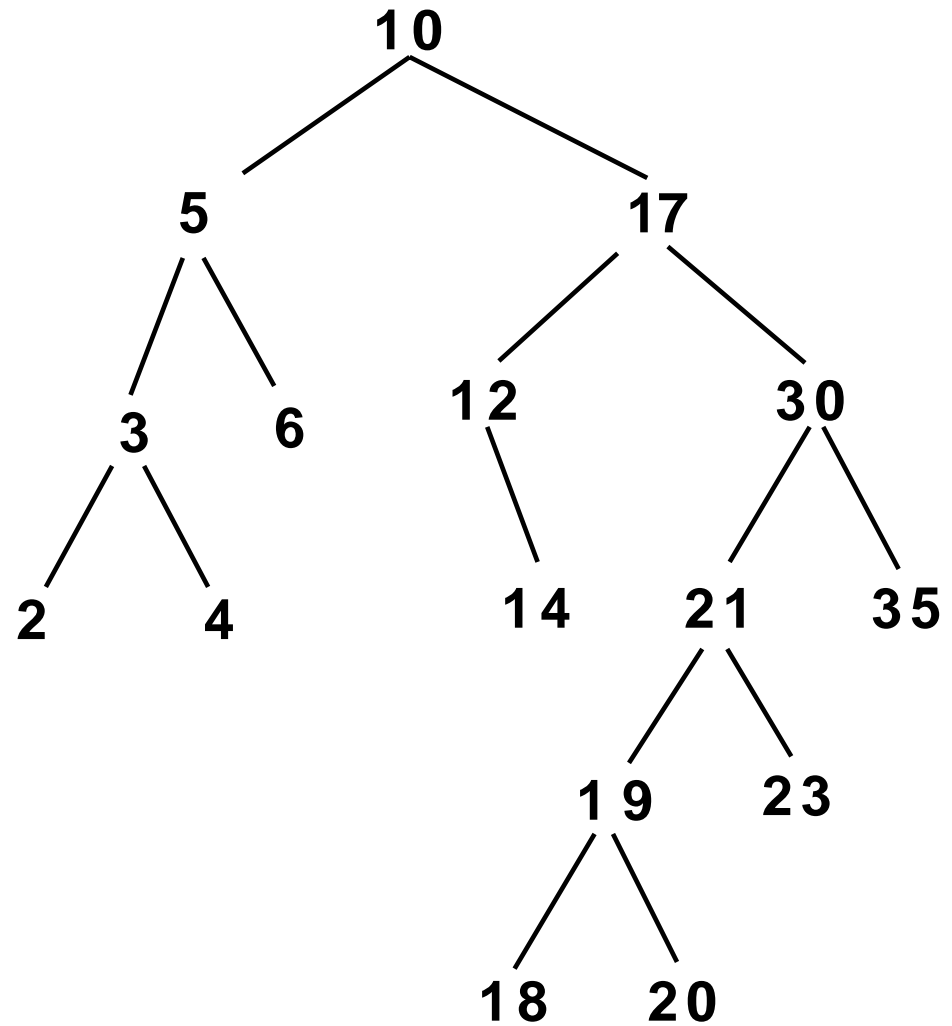
suppression d'un nœud avec 2 fils
cas 3-1 (15)

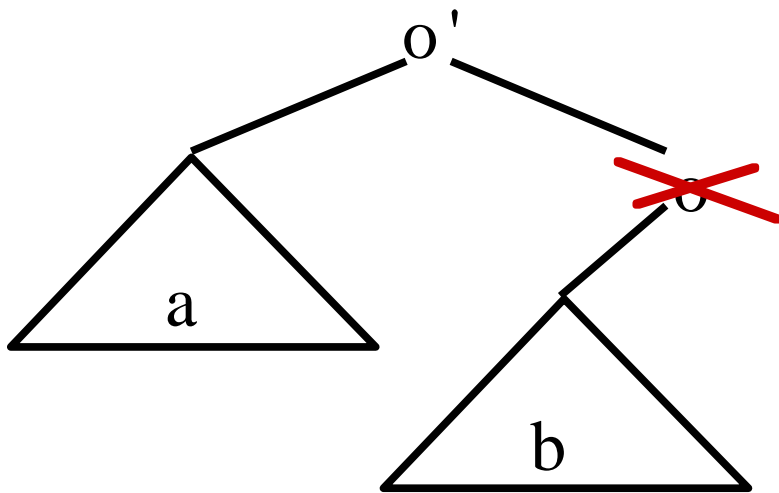
EXEMPLE



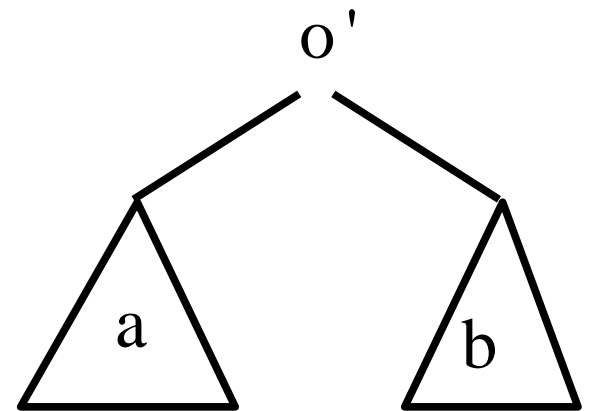
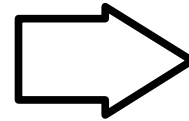
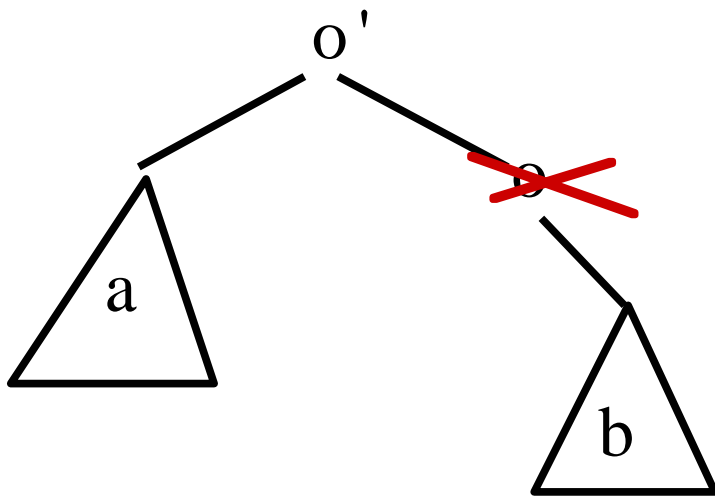
**suppression d'un nœud avec 2 fils
cas 3-2 (16)**

EXAMPLE

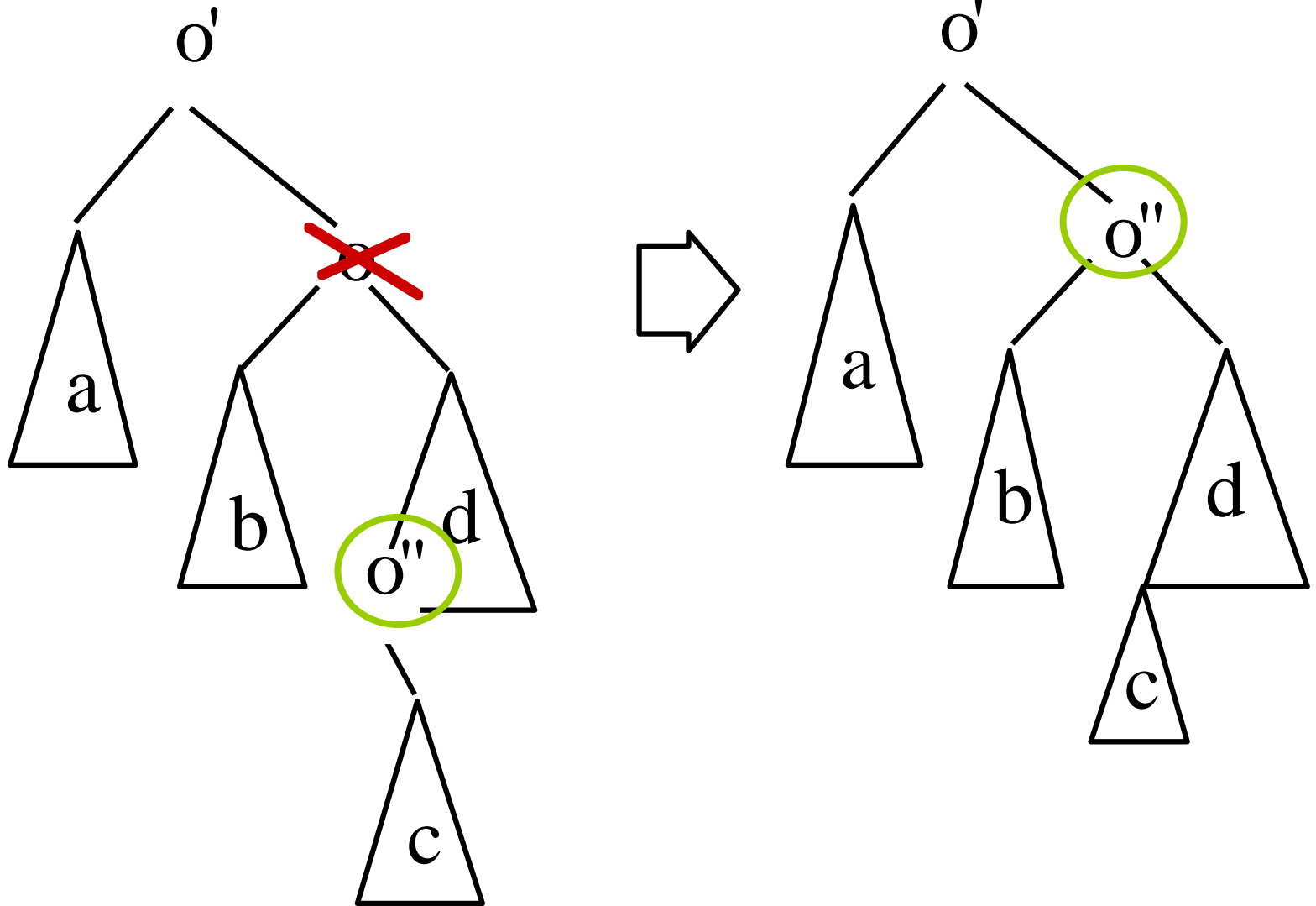




cas 2



Cas 3.2



suppression d'un nœud N

cas 1: N est une feuille

→ suppression simple

cas 2: N a un seul fils F

→ F prend la place de N
(remontée du sous-arbre)

cas 3: N a 2 fils

→ est remplacé par le nœud de plus
petite clé de son sous-arbre de droite

cas 3-1: c'est une feuille

cas 3-2: ce noeud n'a qu'un fils
droit qui prend sa place

```
classe ABR {  
  Ccle cle;  
  Elt element;  
  ABR gauche;  
  ABR droit;  
  ABR pere;  
  ABR (Ccle c, Elt e, ABR g, ABR d, ABR p){  
    this.cle = c;  
    this.element = e;  
    this.gauche = g;  
    this.droit = d;  
    this.pere = p;  
  }  
  //les méthodes}
```

suppression d'un élément de clé **c** au nœud **a**

(obtenu par recherche)

cas 1 **a** est une feuille ($a.g=a.d=\emptyset$):

si $a.père.cle > c$ alors $a.père.g = \emptyset$

sinon $a.père.d = \emptyset$

cas 2 **a** n'a pas de fils droit ($a.g \neq \emptyset, a.d = \emptyset$):

$a = a.g$ *on remonte le fils gauche*

ou **a** n'a pas de fils gauche ($a.d \neq \emptyset, a.g = \emptyset$):

$a = a.d$ *on remonte le fils droit*

cas 3

a a 2 fils:

rechercher le plus petit du sous-arbre de droite

f = a.d;

tant que f.g ≠ ∅ faire f=f.g fait;

a.element = f.element;

a.cle=f.cle; *l'élément de f remplace l'élément supprimé*

f = f.d; *si f n'a pas de fils gauche remonter le fils droit de f;*

f.d = ∅ si f feuille

Complexité de la suppression: $O(h(a))$

Conclusion arbre binaire de recherche

- **recherche,
adjonction,
suppression**

complexité: $O(h(a))$

avec $\log_2 n \leq h(a) \leq n-1$

complexité en moyenne: $O(\log n)$

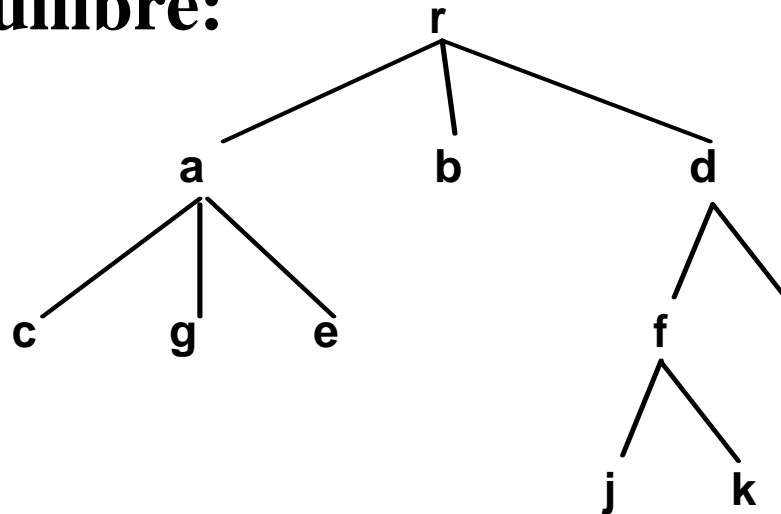
- **problème:**

éviter les cas défavorables

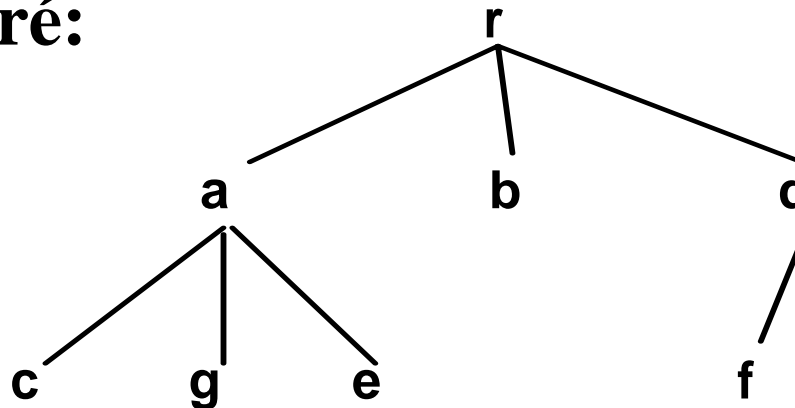
→ arbres équilibrés

équilibre

arbre non équilibré:



arbre équilibré:



les feuilles sont sur au plus 2 niveaux

8.3 ARBRES H-EQUILIBRES

définition: Arbre tel qu'en tout nœud la différence de hauteur entre les sous-arbres gauche et droit est au plus de 1

déséquilibre:

$$\text{déseq}(a) = h(a.g) - h(a.d)$$

$$\text{déseq}(a) = 0 \text{ si } a = \emptyset$$

arbre H-équilibré

pour tout b sous-arbre de a ,

$$\text{déséq}(b) \in \{-1, 0, +1\}$$

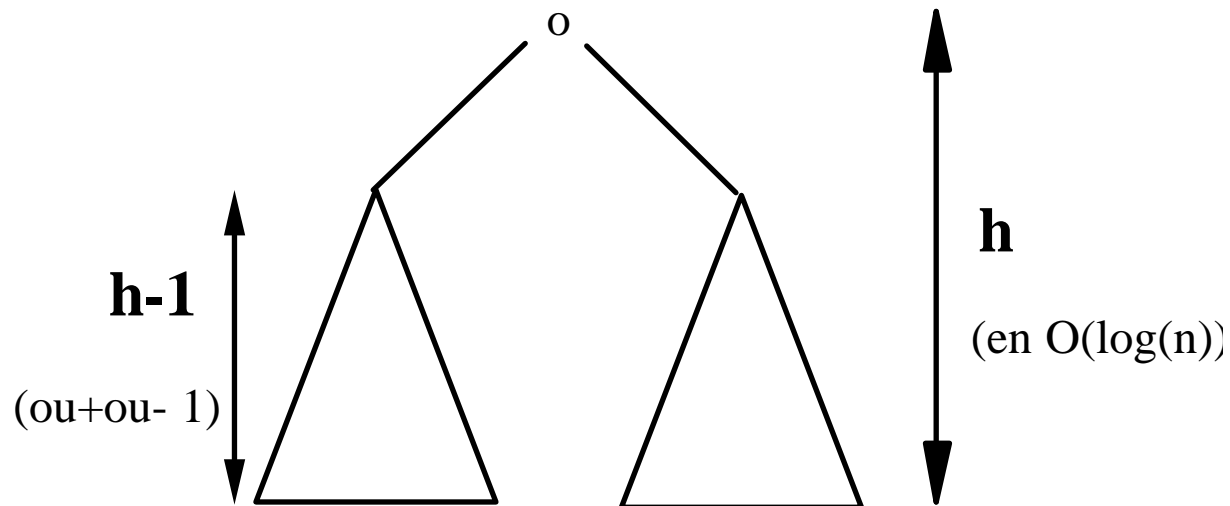
arbre H-équilibré $\Rightarrow \log_2(n+1) \leq h + 1 \leq 1.45 \log_2(n+1)$

arbre AVL:

arbre binaire de recherche

H-équilibré

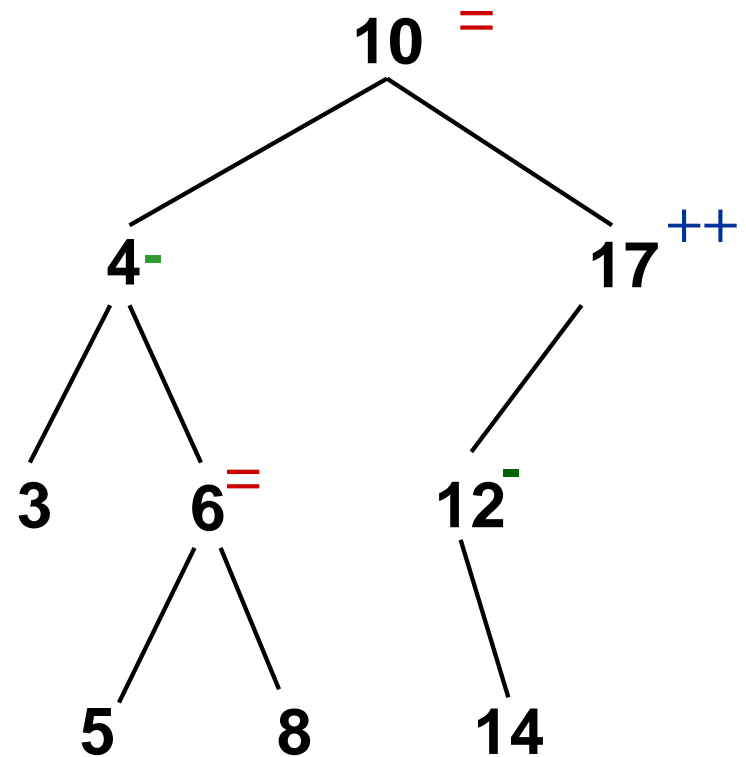
⇒ *la recherche dans un arbre AVL est au pire en $O(\log_2 n)$*



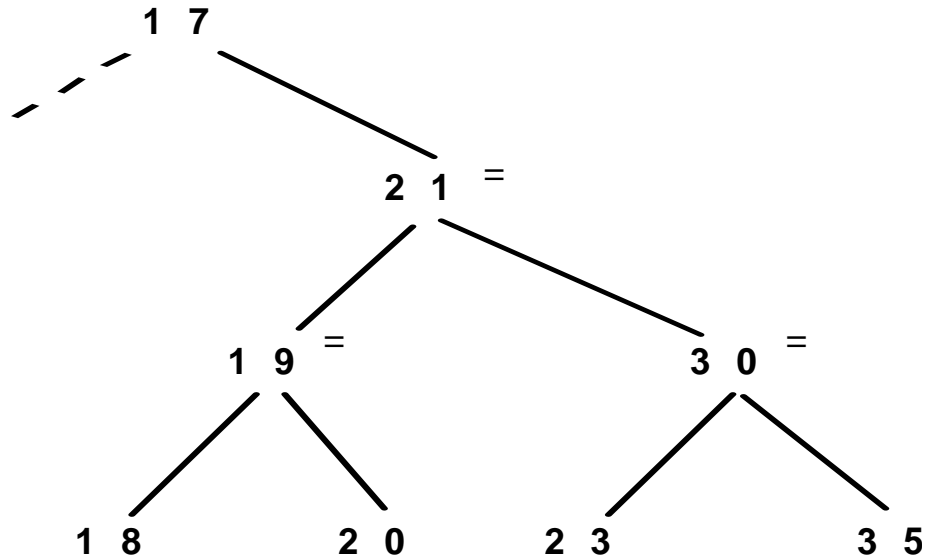
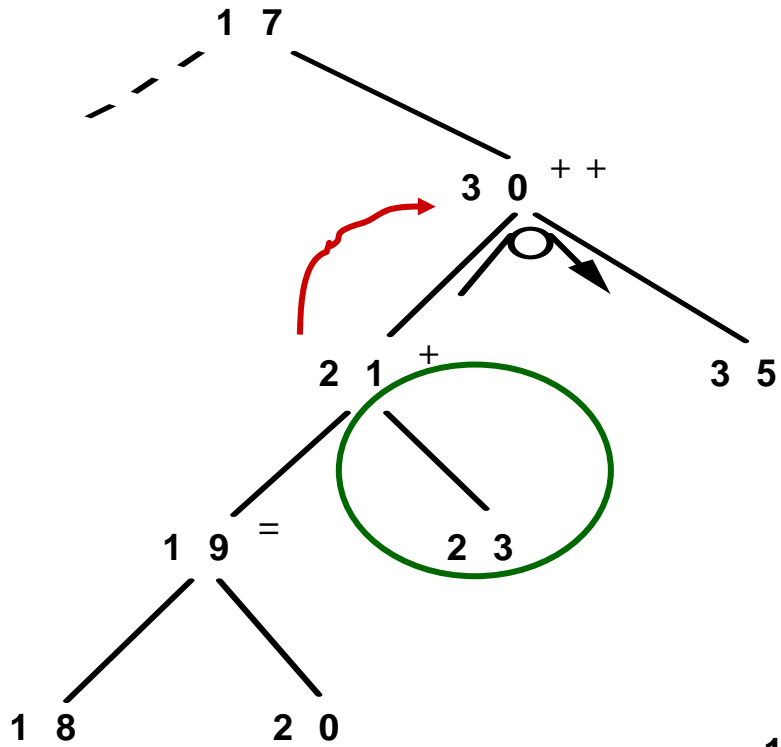
problème: maintenir l'équilibre

notations des déséquilibres:

- =** si $h(a.g) = h(a.d)$
- si $h(a.g) = h(a.d) - 1$
- si $h(a.g) = h(a.d) - 2$
- +** si $h(a.g) = h(a.d) + 1$
- ++** si $h(a.g) = h(a.d) + 2$

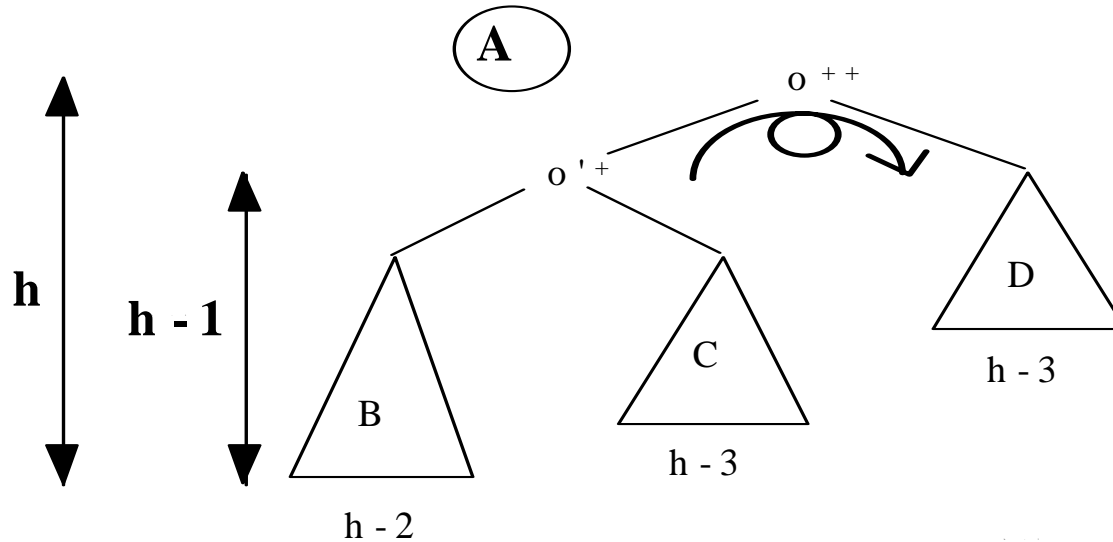


exemple de rotation



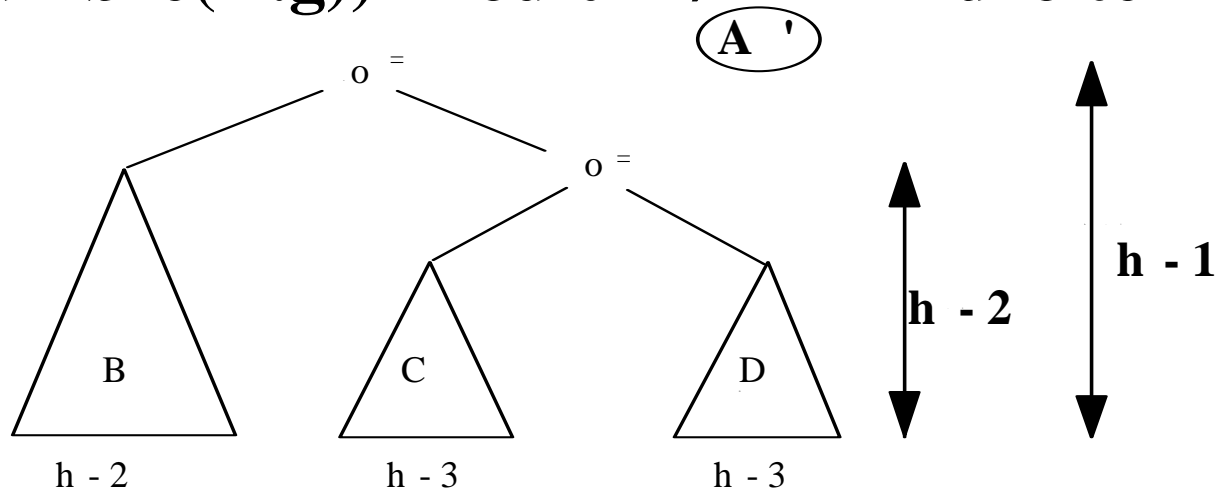
Ré-équilibrage 1

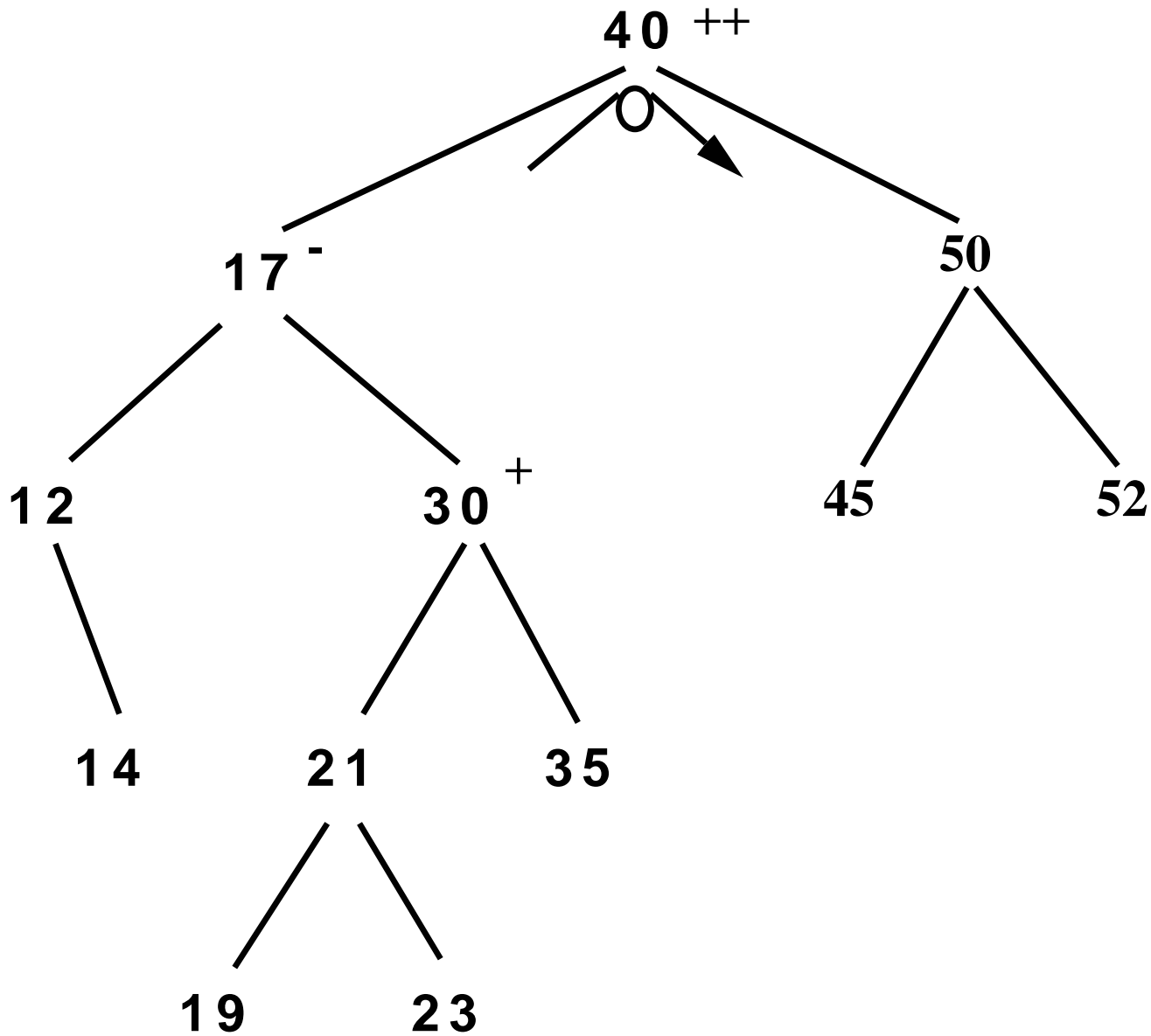
rééquilibrage: rotation à droite

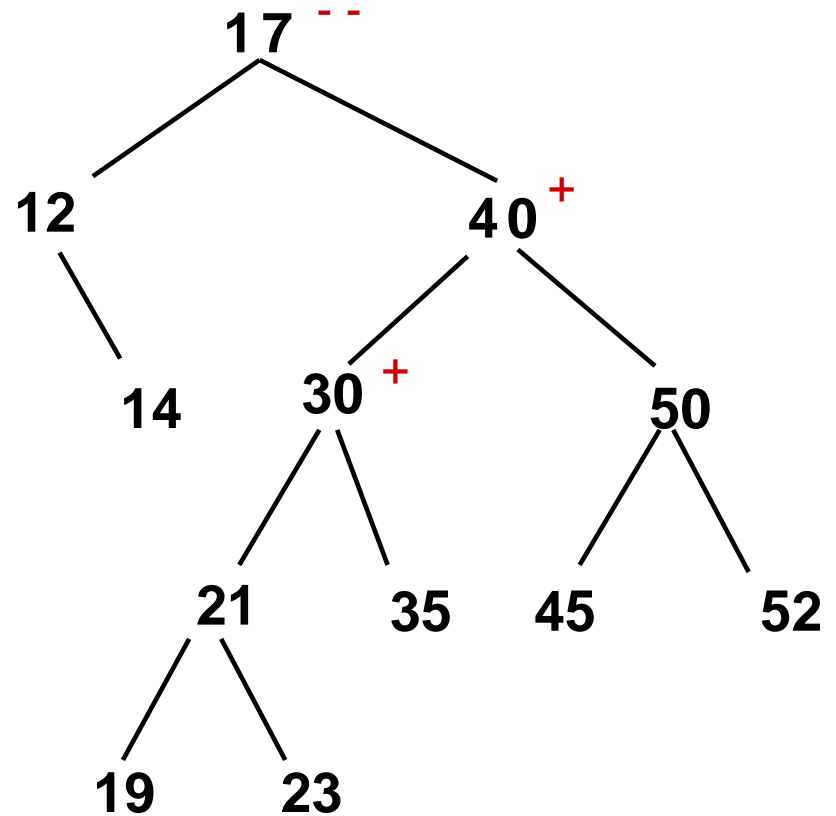


déséquilibre(A)=2, et
déséquilibre(A.g)=1 ou 0 \Rightarrow

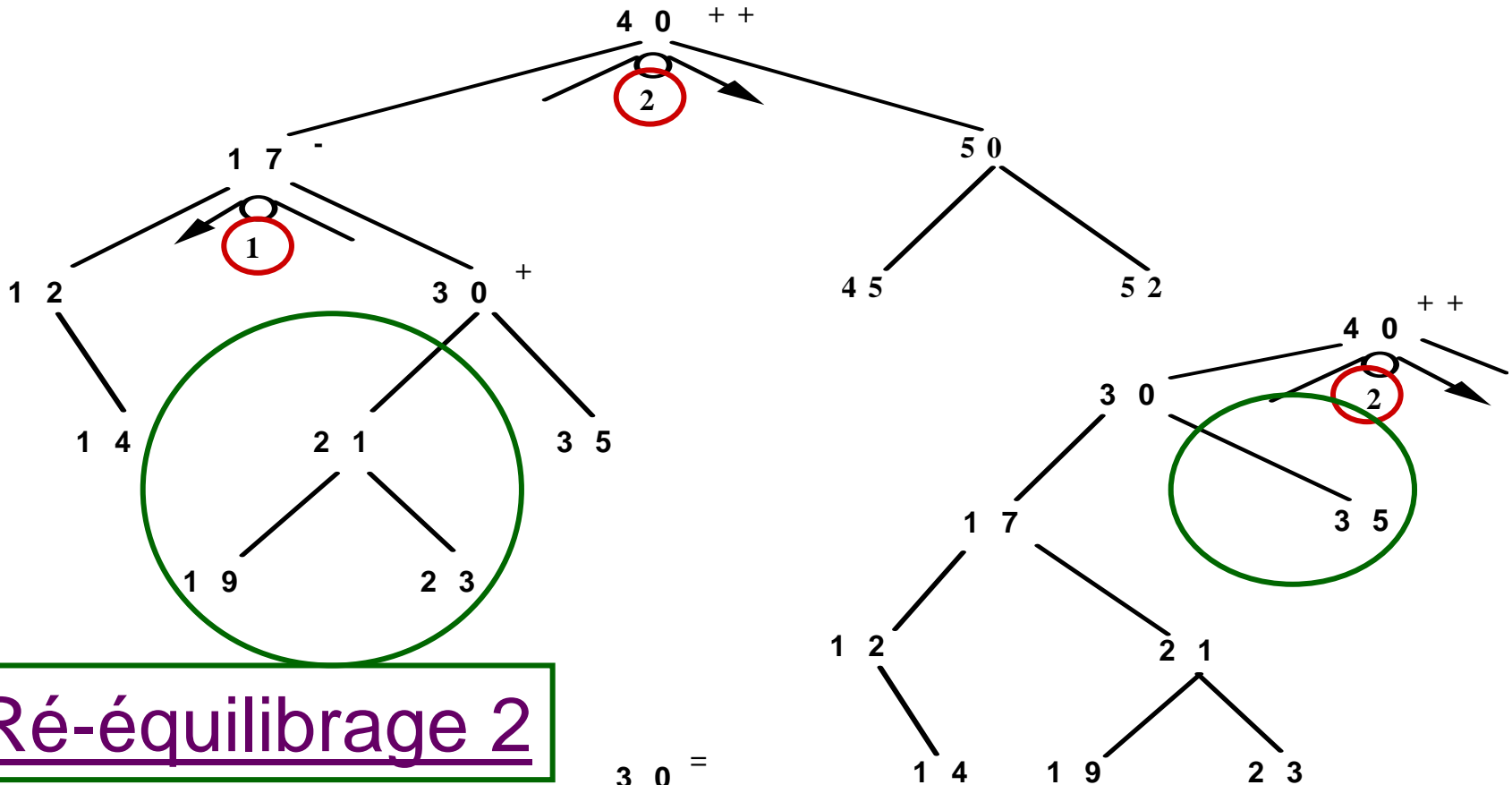
rotation à
droite



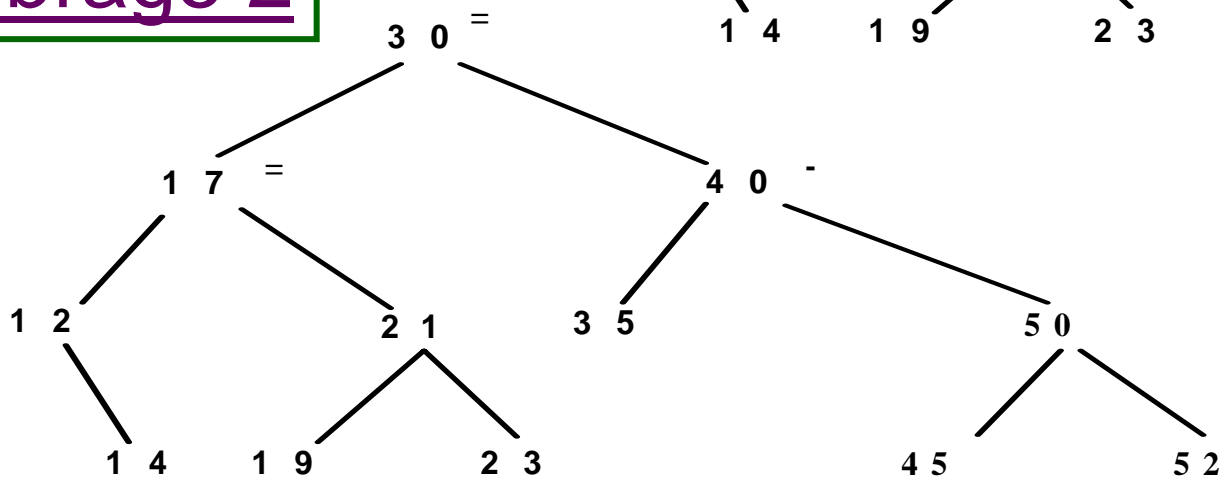




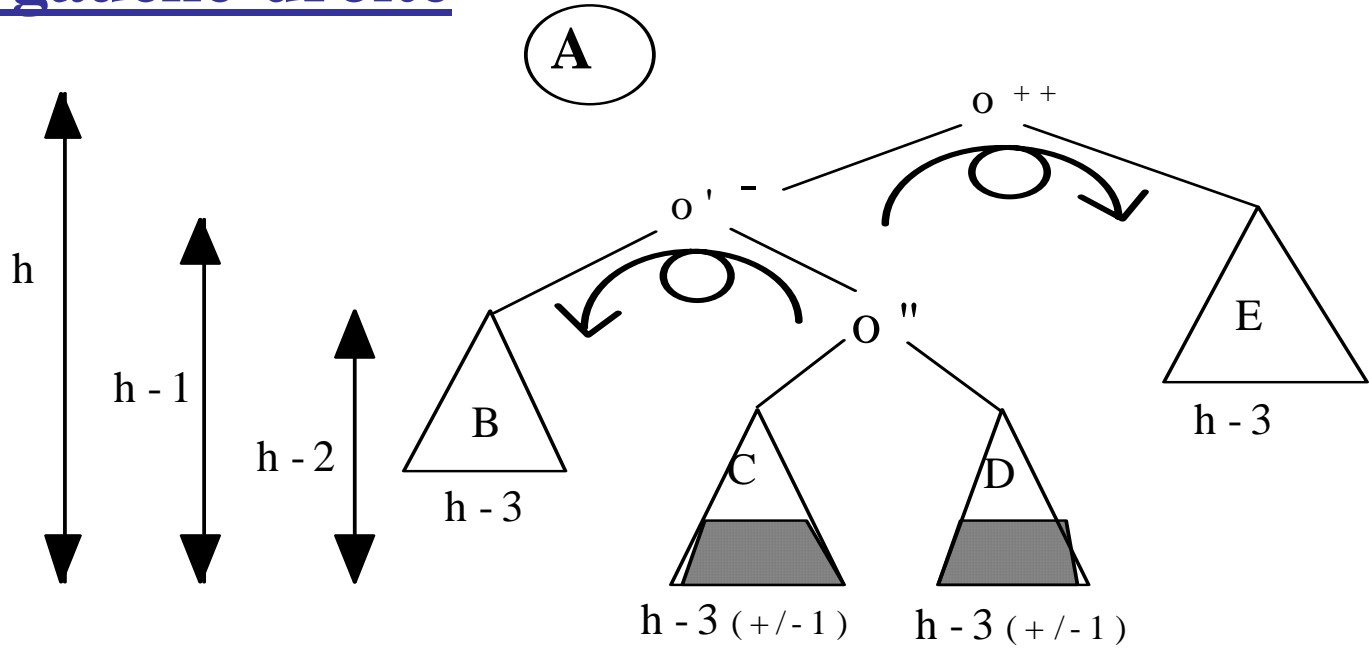
**La rotation simple apporte un nouveau déséquilibre:
double rotation nécessaire**



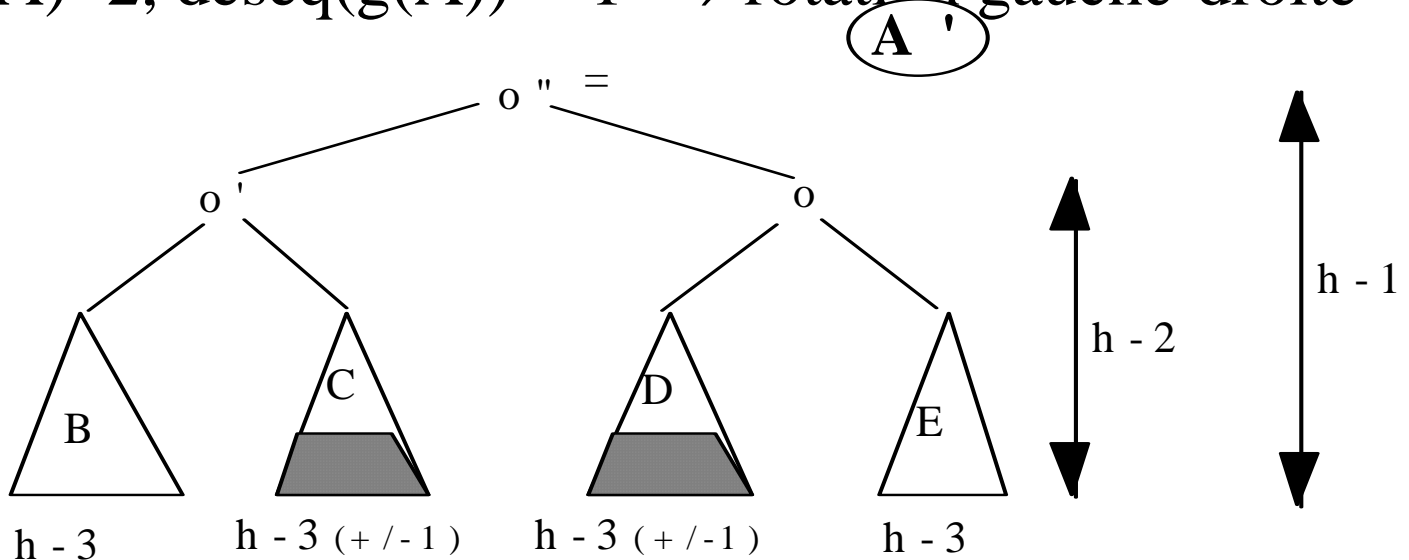
Ré-équilibrage 2



rotation gauche-droite



déséq(A)=2, déséq(g(A))=-1 \Rightarrow rotation gauche-droite



adjonction et suppression

même principe que dans un arbre binaire de recherche mais en rééquilibrant par rotations après l'opération si c'est nécessaire (si a n'est plus H équilibré)

Dans les arbres AVL

recherche		en $O(\log_2 n)$
adjonction		
suppression		

On constate expérimentalement:

en moyenne 1 rotation pour 2 adjonctions

en moyenne 1 rotation pour 5 suppressions

8.3 ARBRES BALANCES

idée

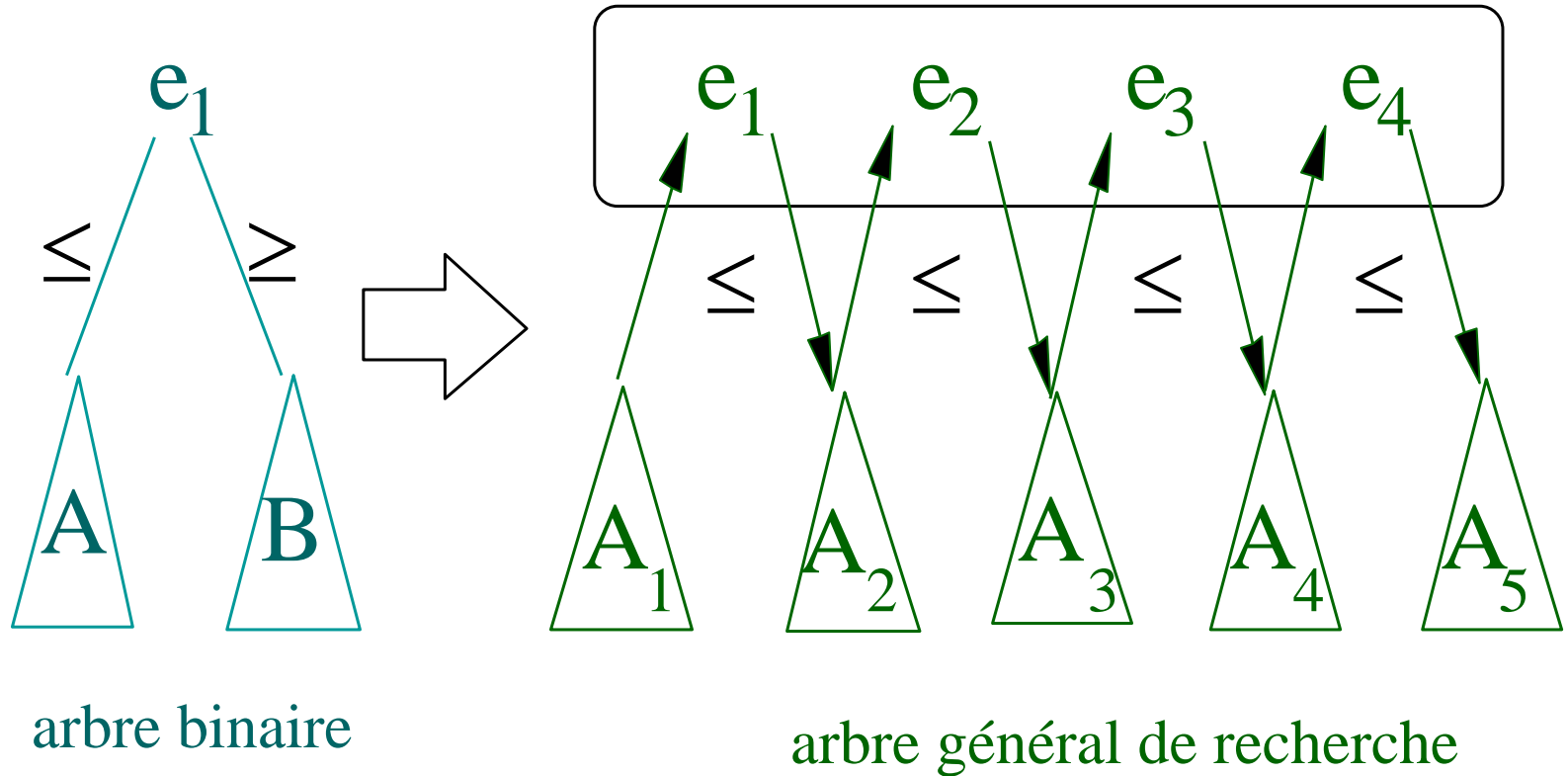
- **prendre en compte la taille des blocs disques**
un bloc peut contenir plusieurs nœuds
 - temps d'accès environ 20 ms
- **regrouper les nœuds voisins dans un même bloc**
difficile à maintenir

solution

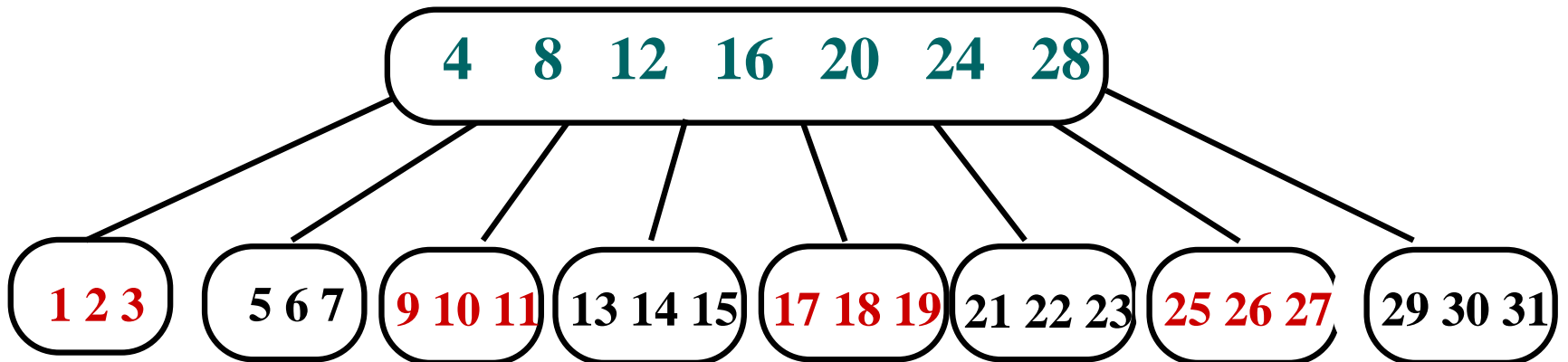
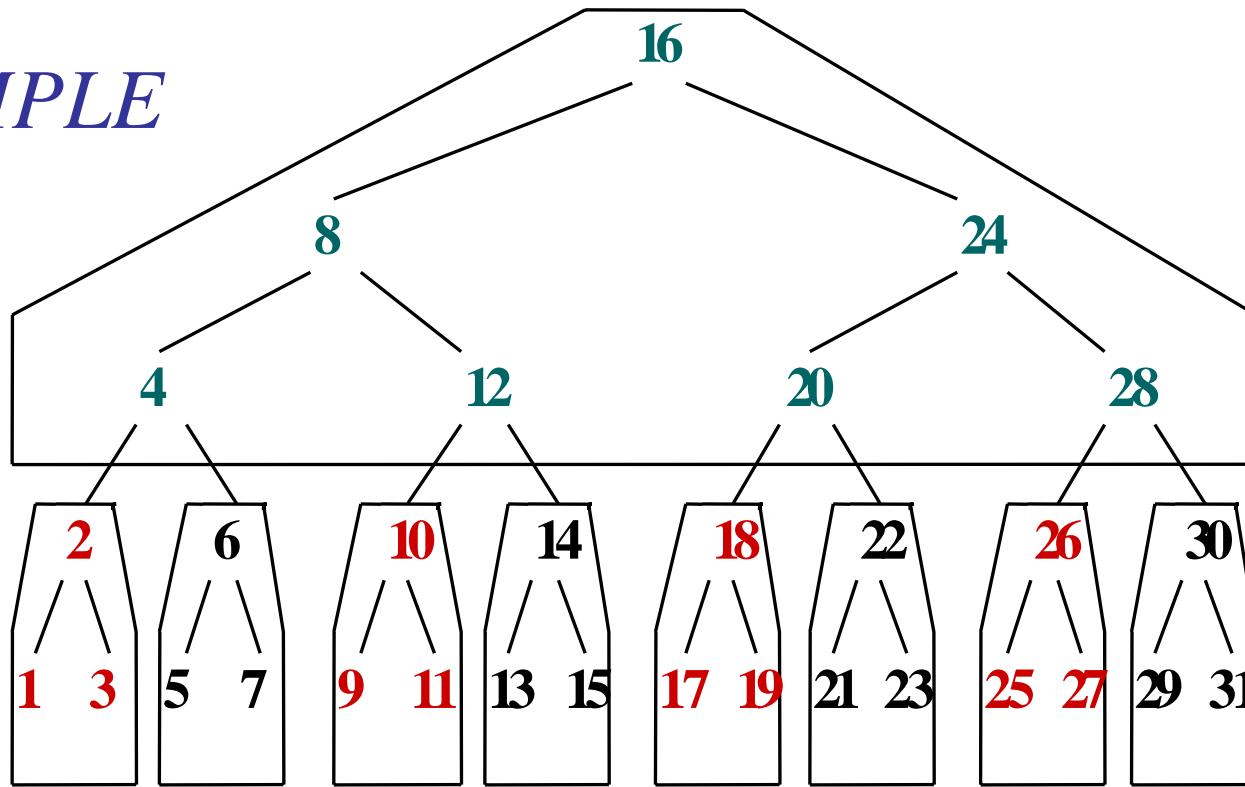
mettre plusieurs valeurs par nœuds

⇒ arbres généraux de recherche

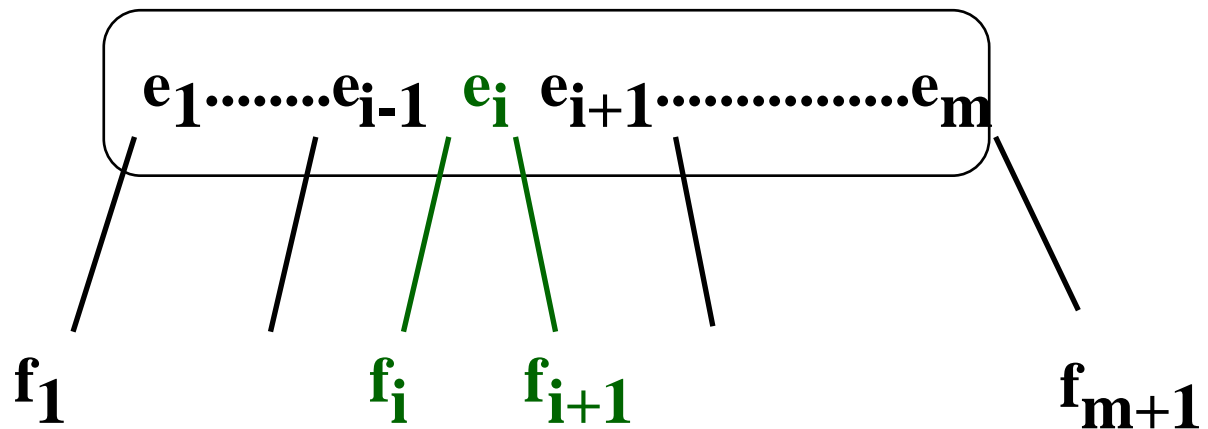
Principe:



EXAMPLE



un nœud de **m** éléments
a **m+1** fils



f_i : ième fils

$\text{clé}(e_{i-1}) < \text{clés de } f_i < \text{clé}(e_i)$

$$c_{i-1} = \text{clé}(e_{i-1})$$

$$c_i = \text{clé}(e_i)$$

recherche de l'élément de clé c dans l'arbre a

- **recherche de c dans a**

parcours d'une liste ordonnée

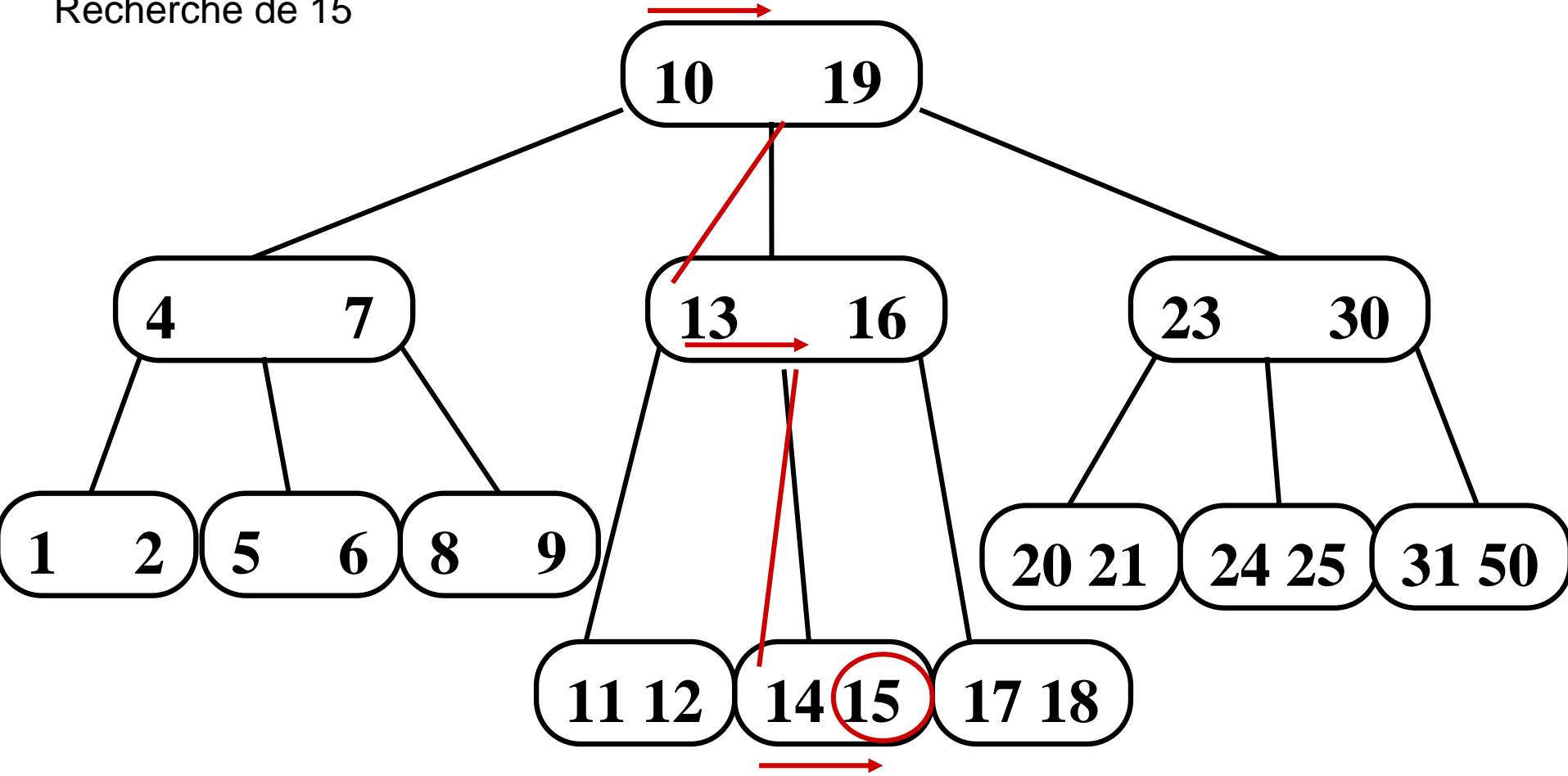
soit i tel que $c_{i-1} \leq c < c_i$

- **si $c_{i-1} == c$ alors « place trouvée »**

i -ième élément de a

- **sinon recherche de c dans le i ème sous-arbre de a**
s'il est vide, clé absente

Recherche de 15

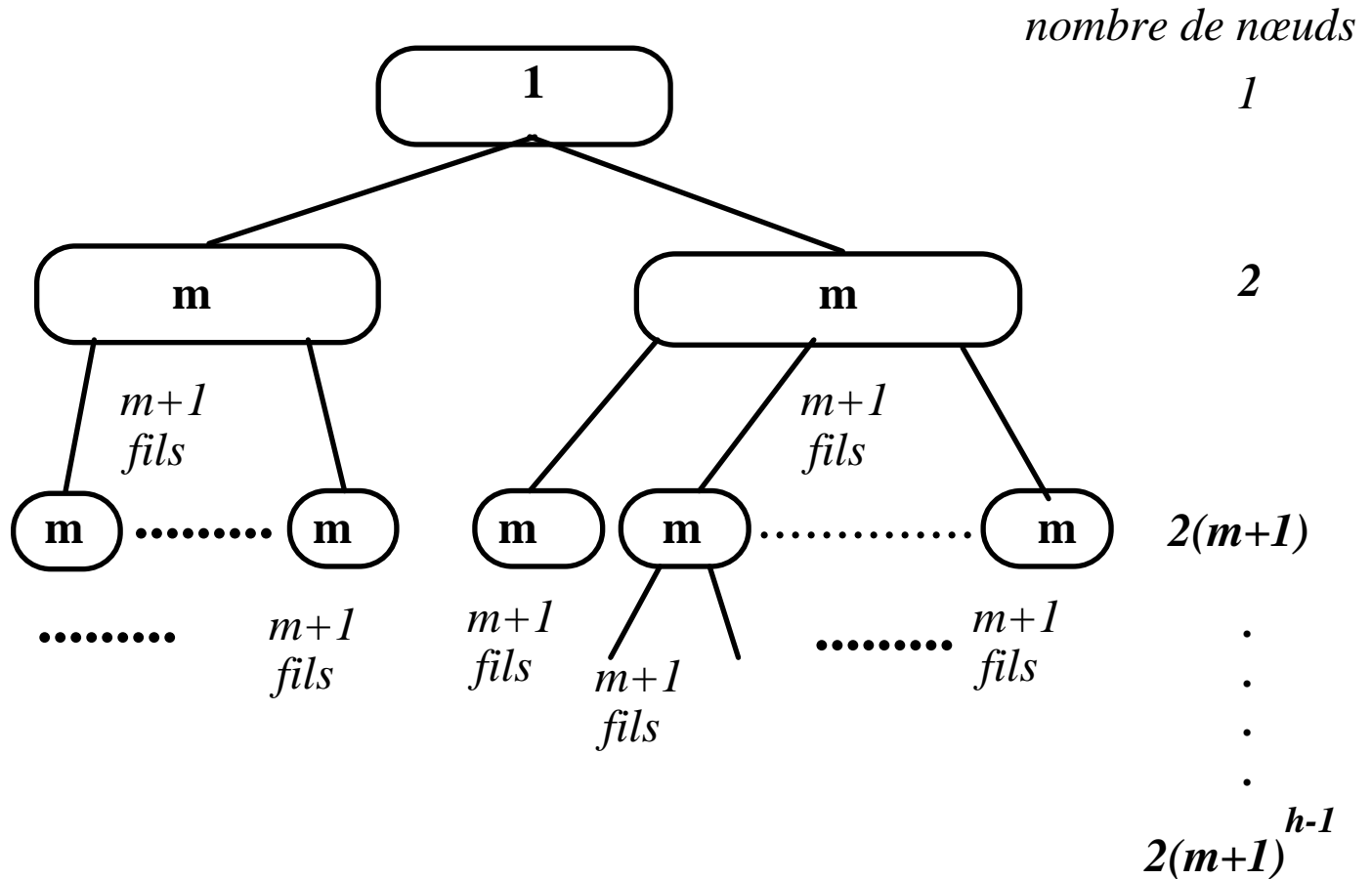


ARBRES BALANCES ou B-ARBRES d'ordre m

- **arbre général de recherche**
- **toutes les feuilles sont au même niveau**
- **tout nœud contient au plus $2m$ valeurs**
- **tout nœud sauf la racine contient au moins m valeurs**

A **B-arbre d'ordre m** \Rightarrow

$$\log_{2m+1}(n+1) \leq h(A) \leq \log_{m+1}(n+1)/2$$



EXEMPLE

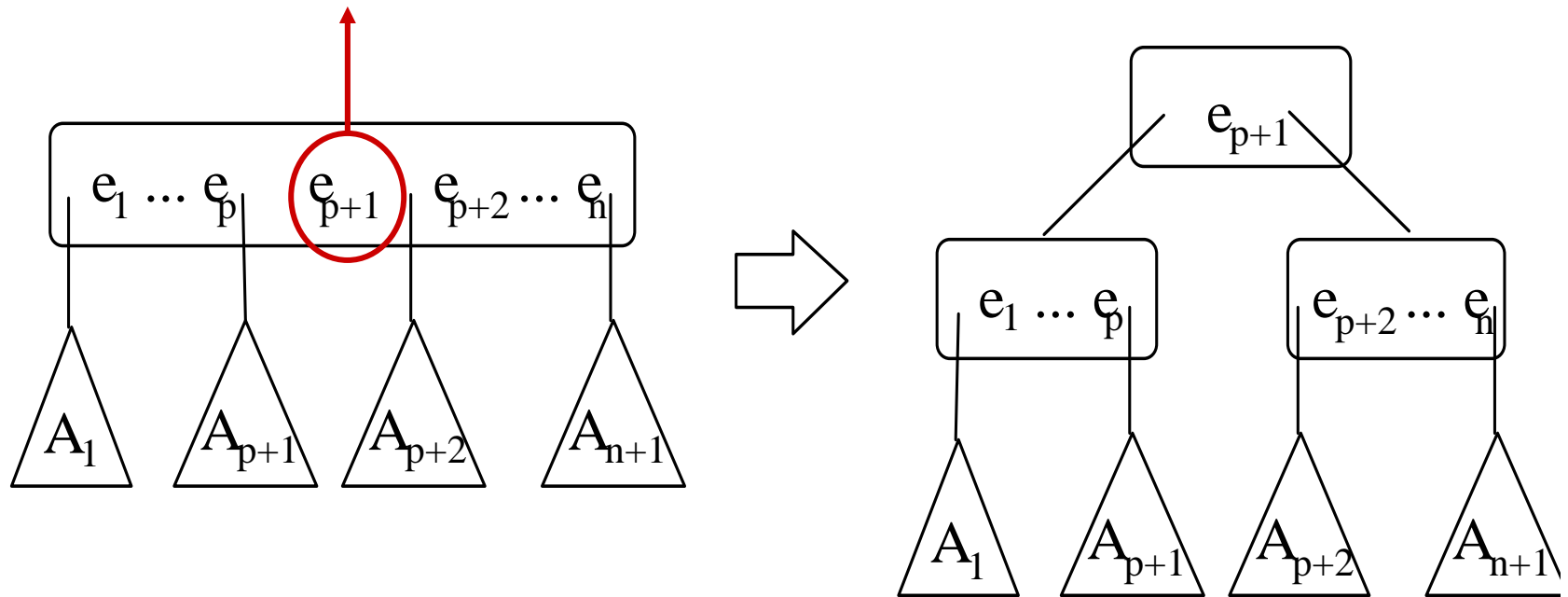
$m = 100$ et $h = 2 \Rightarrow 20\ 000 \leq n \leq 8\ 000\ 000$

$m = 100$ et $h = 3 \Rightarrow 2\ 000\ 000 \leq n \leq 1\ 600\ 000\ 000$

problème: maintenir le nombre de valeurs par nœud dans des limites après des adjonctions ou suppressions

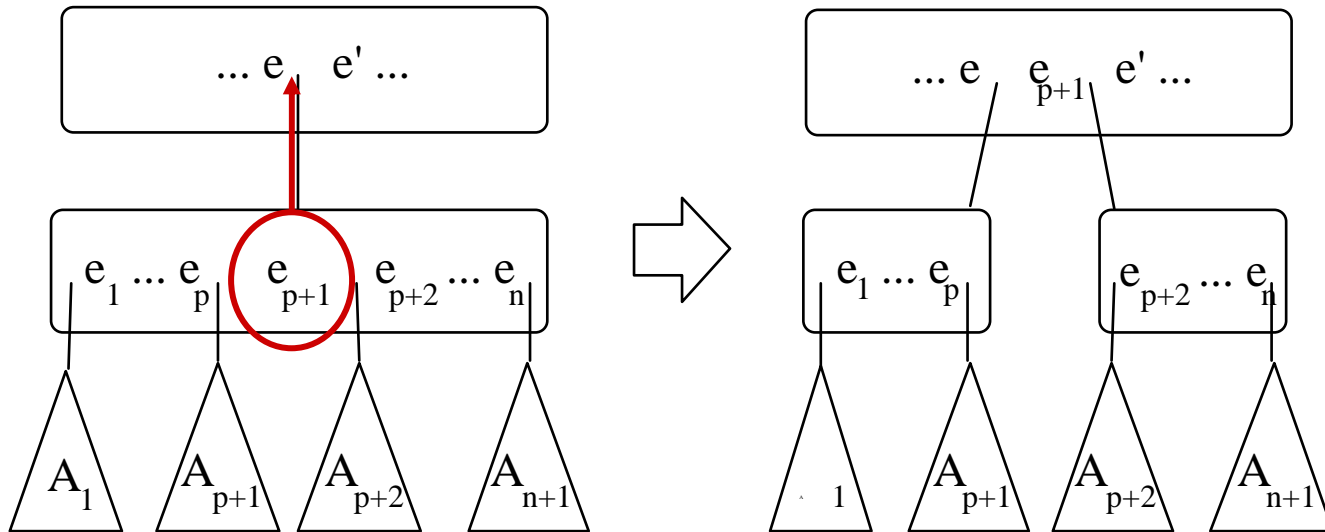
- **opérations de rééquilibrage**
- **éclatement**
 - **regroupements**
 - **répartition**

éclatement d'une racine



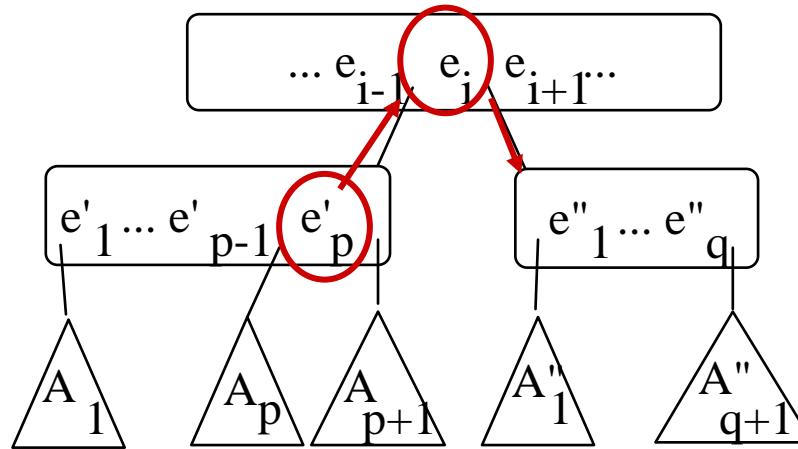
précondition: nombre d'éléments ≥ 3

éclatement d'un sous-arbre

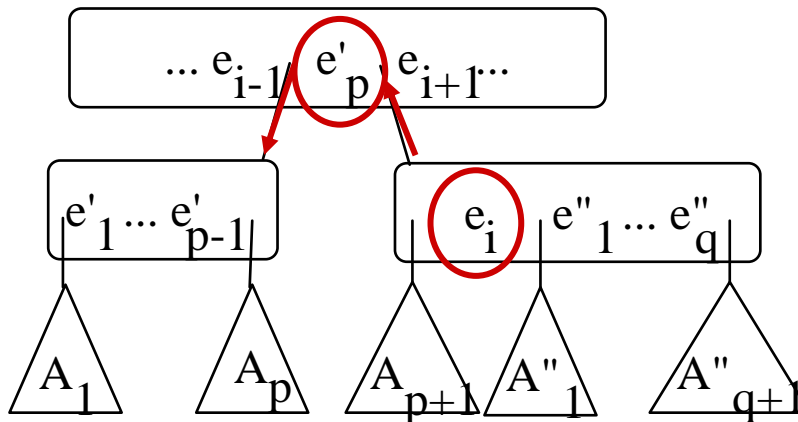


éclatement de la racine du sous-arbre
réinsertion de e_{p+1} dans le père de cette racine

transferts et répartition



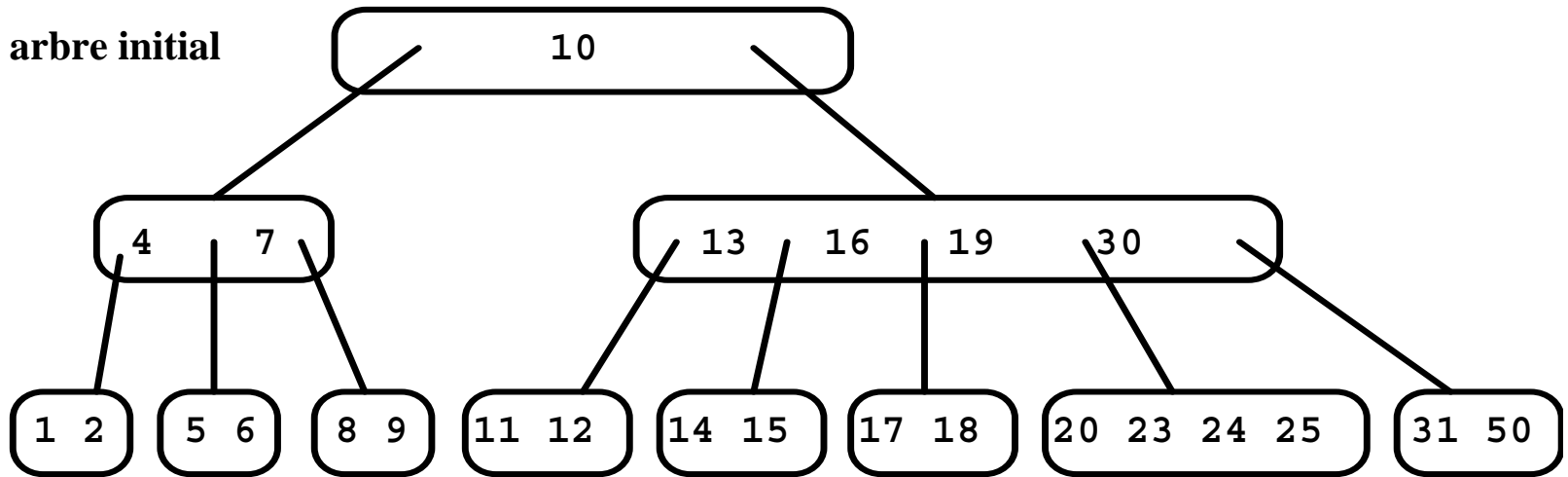
**transfert gauche-droite et
transfert droite-gauche**



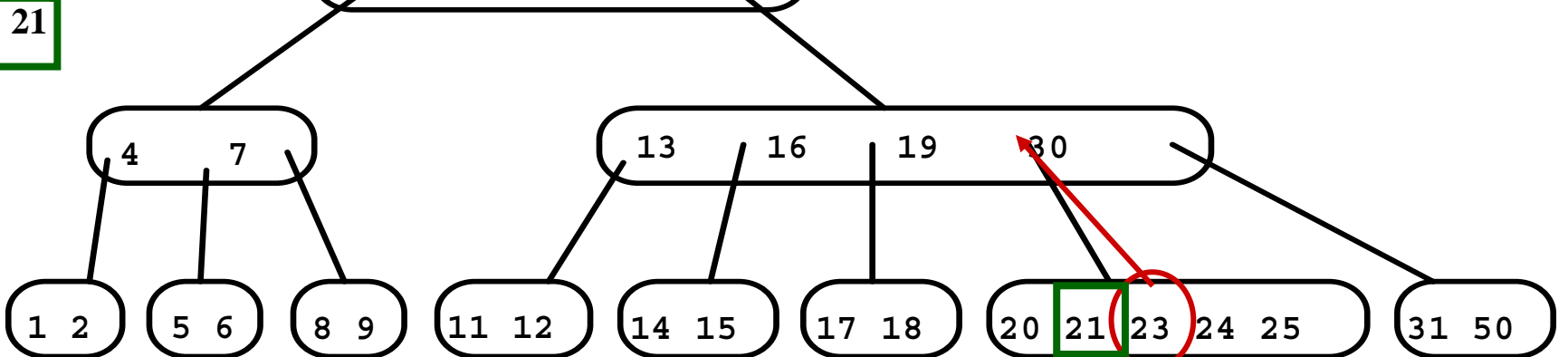
adjonction

(dans un 2-arbre)

arbre initial

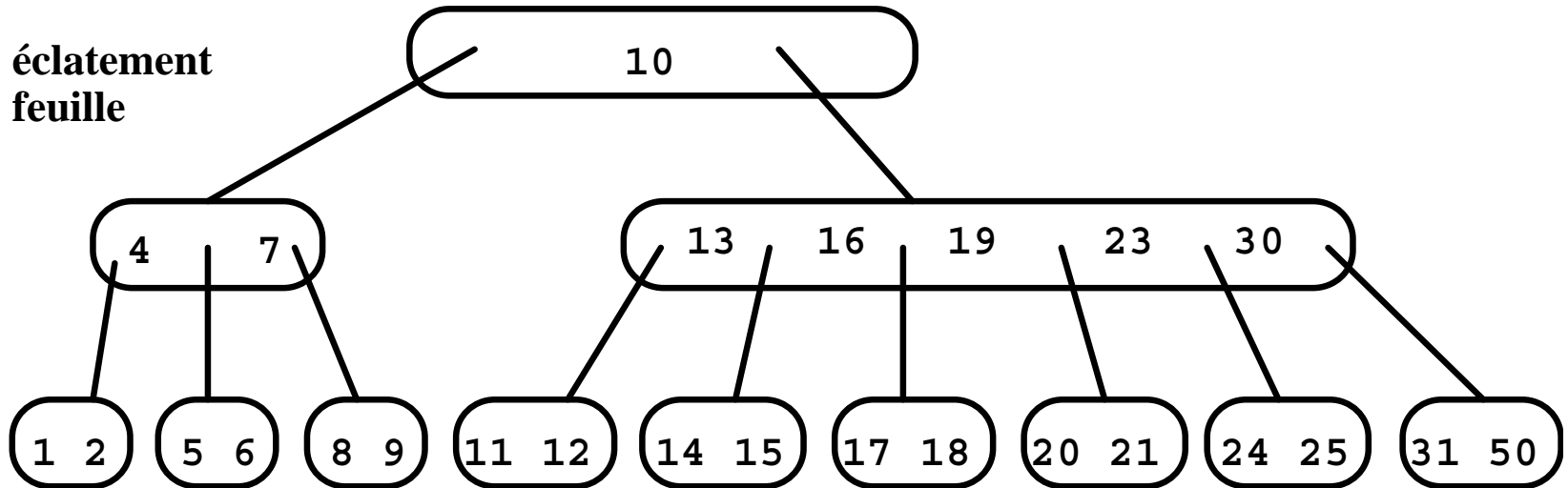


adjonction

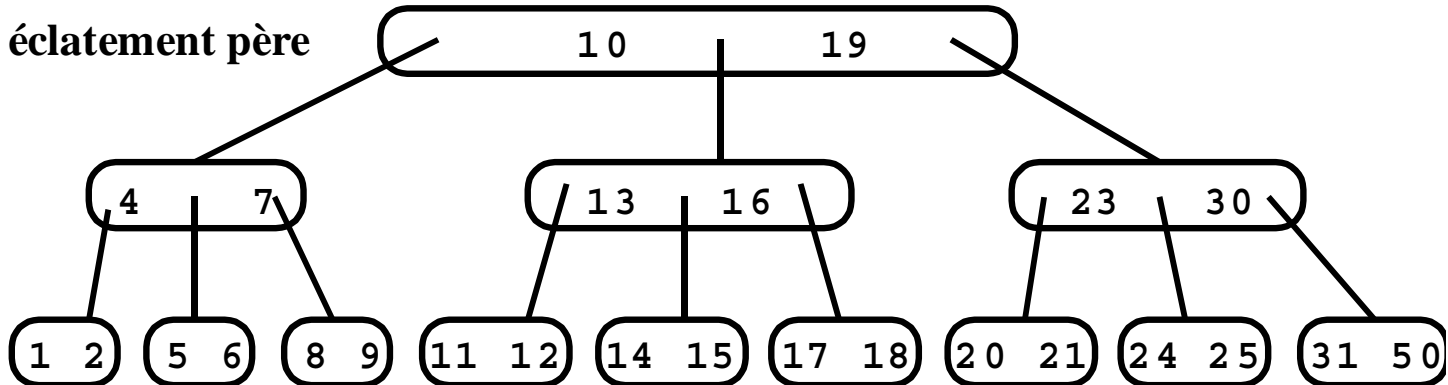


adjonction (suite)

éclatement
feuille



éclatement père



complexité: hauteur de l'arbre

suppression

suppression dans un nœud non feuille \Rightarrow

**remplacer la valeur par la plus petite du $(i+1)^{\text{ème}}$
sous-arbre**

suppression effective dans une feuille

rééquilibrage éventuel par regroupement

conclusion

maintien de la propriété B-arbre:

adjonction \Rightarrow éclatement ou répartition

suppression \Rightarrow regroupement ou répartition

**opérations au plus $\log_{m+1}(n+1)/2$
accès disque**

taux de remplissage moyen: 0.7

amélioration

B-arbre sur les clés, pour augmenter m

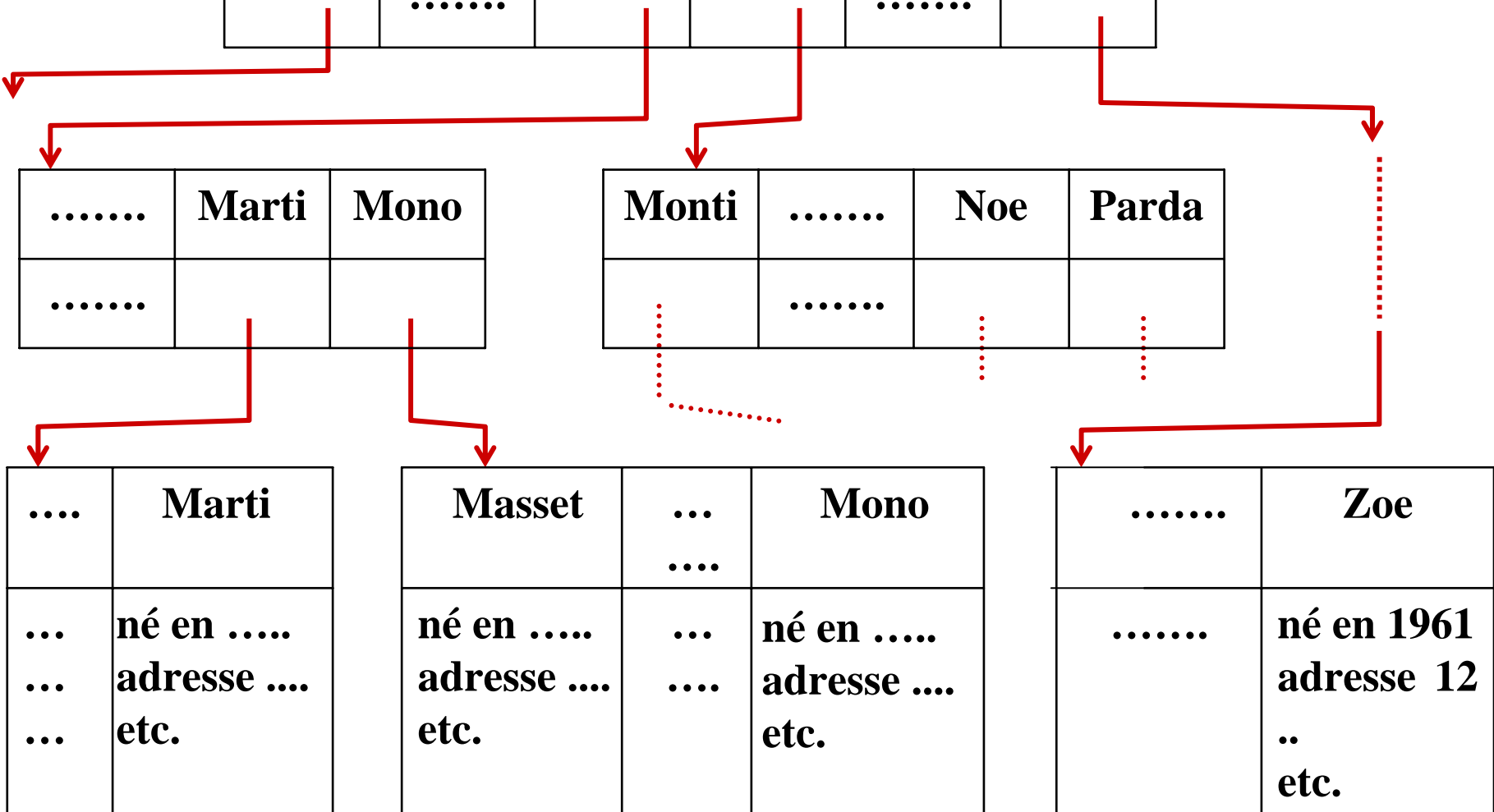
8.3 FICHIERS SEQUENTIELS INDEXES

idée : amélioration des B-arbres: ne stocker que des clés dans les nœuds intermédiaires pour augmenter m. Les informations sont stockées uniquement dans les feuilles.

un nœud_intermediaire est une liste ordonnée de clés
une feuille contient les clés et les éléments associés

Un exemple de fichier séquentiel indexé

Basile	Mono	Parda	Zoe
	



.....	Marti	Mono
.....		

Monti	Noe	Parda
		

....	Marti
...	né en adresse etc.

Masset	Mono
né en adresse etc.	né en adresse etc.

.....	Zoe
.....	né en 1961 adresse 12 .. etc.

Recherche de Murno

Basile	Mono	Parda	Zoe
	

Monti	Moz	Nana	Noe	Parda
				

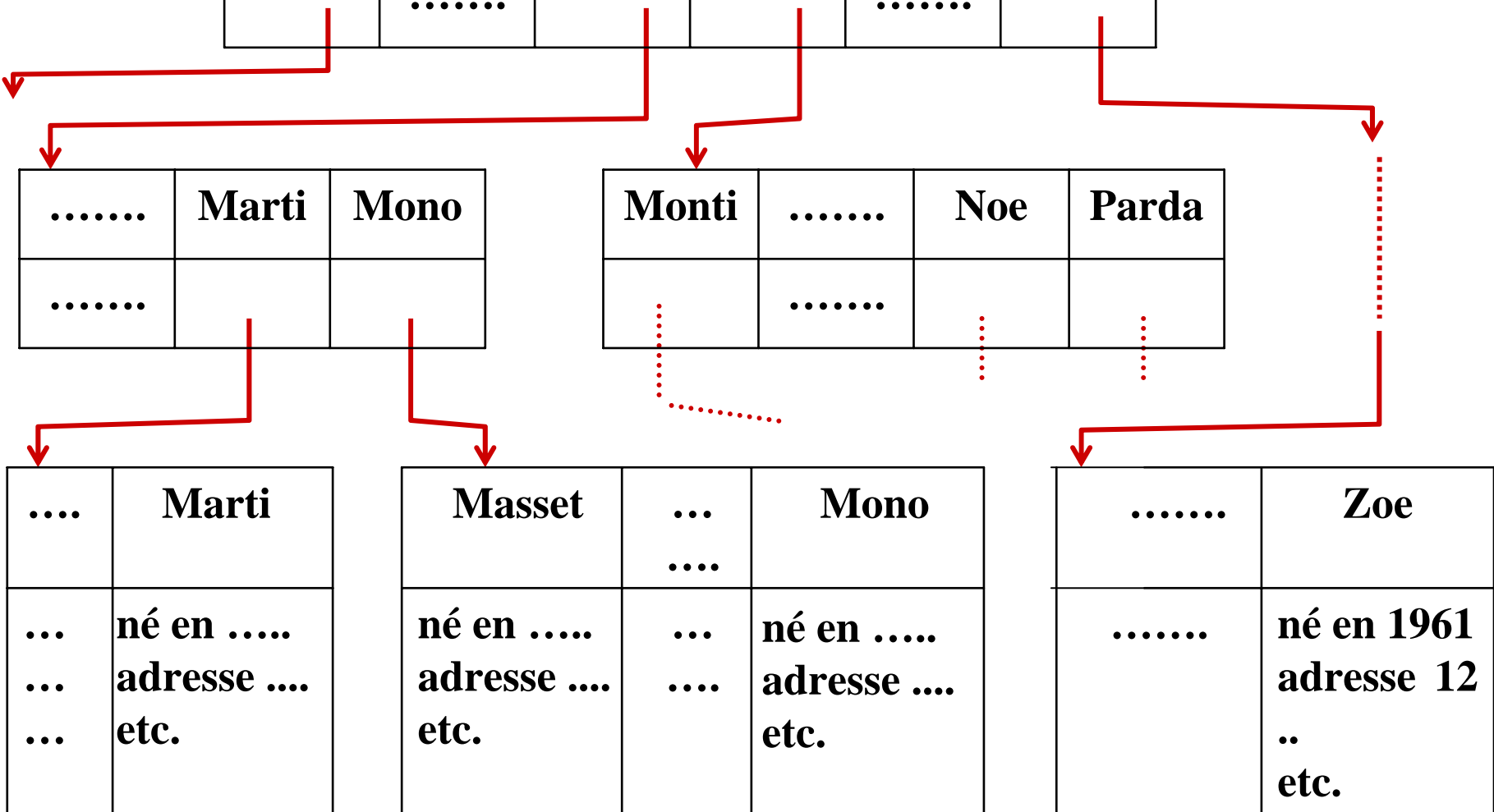
Mozil	...	Mua	Murno	Myra	Nana
né en adresse etc.	né en ... adresse .. etc.	né en ... adresse .. etc.	né en ... adresse .. etc.	né en ... adresse .. etc.

La clé de rang i d'un nœud

- est la plus grande clé de tous les éléments mémorisés dans les feuilles du i -ème sous-arbre de ce nœud.**
- est la clé du dernier élément de la feuille la plus à droite du i -ème sous-arbre de ce nœud.**

Un exemple de fichier séquentiel indexé

Basile	Mono	Parda	Zoe
	



.....	Marti	Mono
.....		

Monti	Noe	Parda
		

....	Marti
...	né en adresse etc.

Masset	Mono
né en adresse etc.	né en adresse etc.

.....	Zoe
.....	né en 1961 adresse 12 .. etc.

si
représentation d'une clé
 \cong
10% de représentation d'un élément
alors
 $m \leftarrow 10m$
La hauteur de l'arbre **a** décroît