

# **NFP136- Cours 7**

## **ARBRES DE RECHERCHE**

### **PLAN**

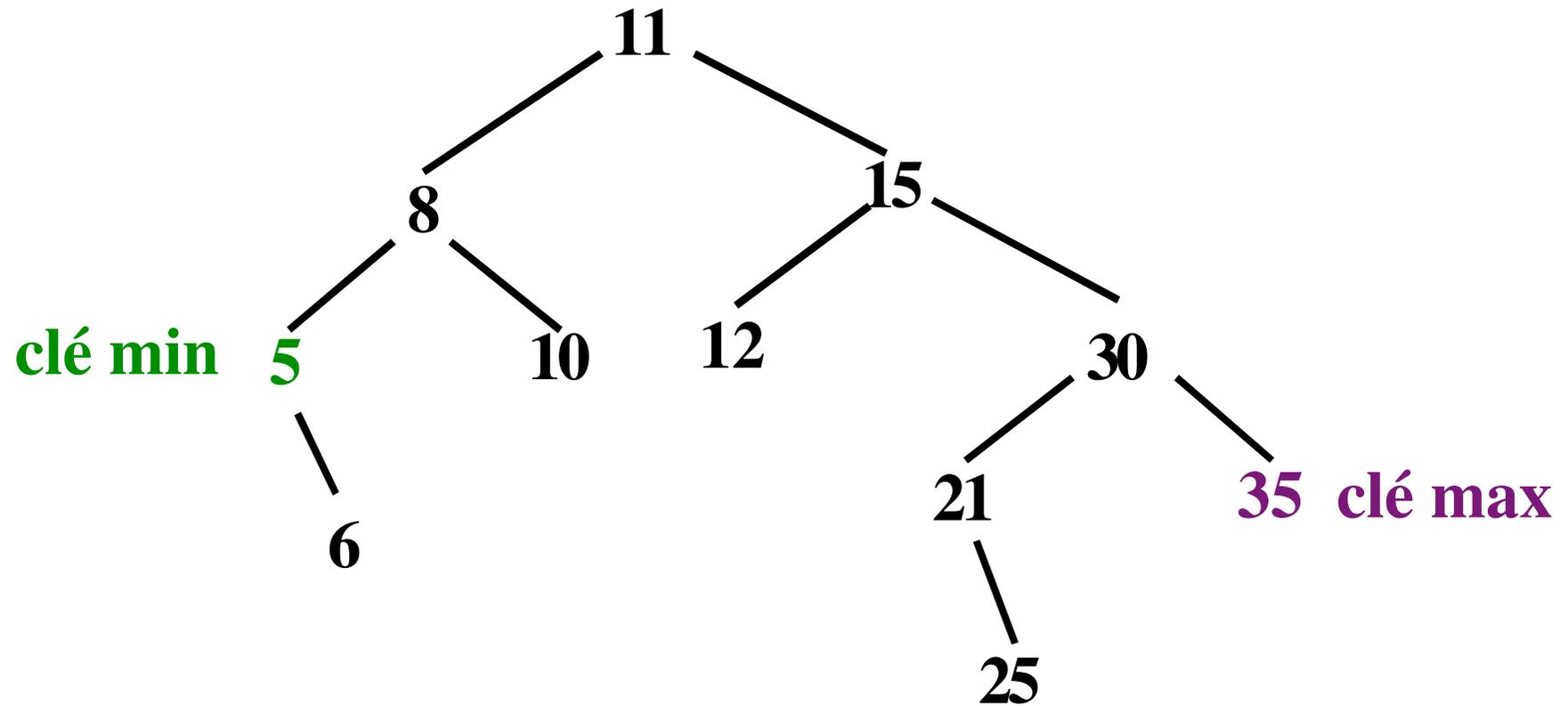
- **Arbres binaires de recherche**
- **Arbre h-équilibrés**

## 7.1 ARBRES BINAIRES DE RECHERCHE

### Définition

**Arbre binaire tel qu'en tout nœud la clé du nœud est supérieure à celle de tous ses descendants de gauche et inférieure à celle de tous ses descendants de droite**

# *EXEMPLE*



RAPPEL: Voir cours n° 3 sur les arbres

**ABR:**        **structures de données pour grands  
volumes variables d'informations  
structures dynamiques**

**Arbre binaire a**

**a.g = sous-arbre de gauche de racine(a)**

**a.d = sous-arbre de droite de racine(a)**

**Clés**    **une donnée → une clé**

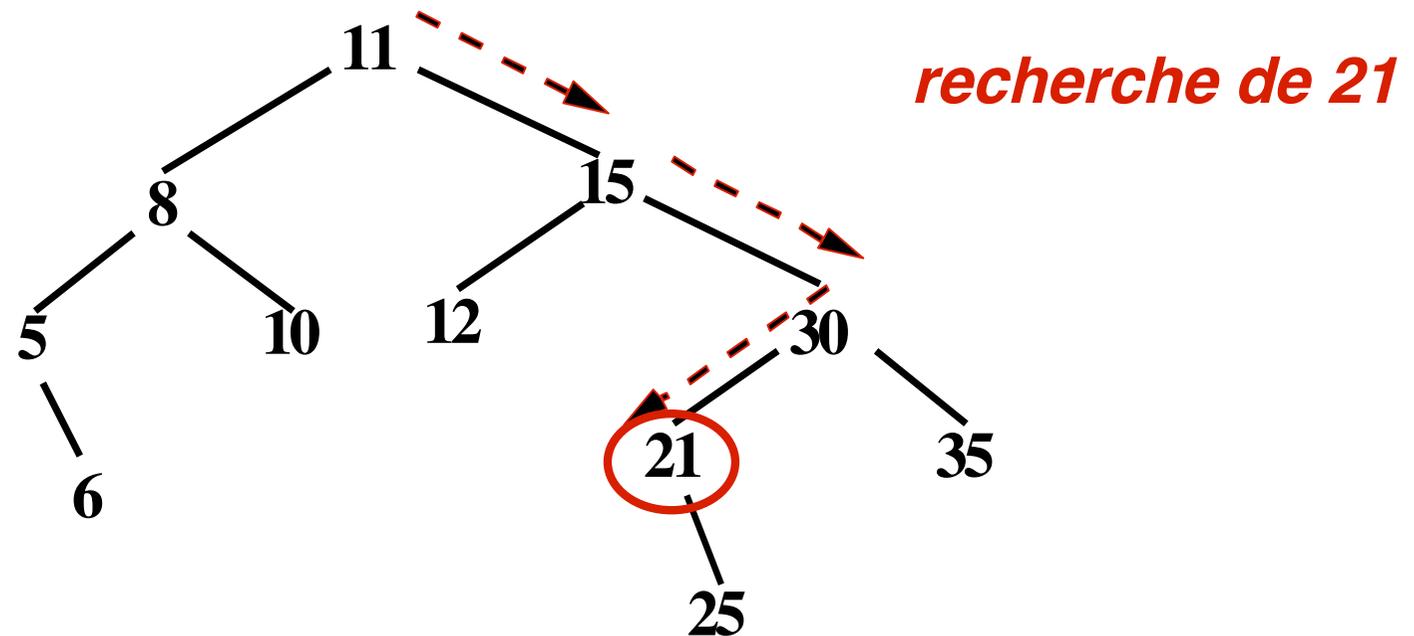
**{clés} ensemble totalement ordonné**

```
class ABR {  
    private int cle;  
    private String element;  
    private ABR gauche;  
    private ABR droit;  
  
    public ABR(int a, String s, ABR g, ABR d) {  
        cle = a;  
        element = s;  
        gauche= g;  
        droit=d;  
    }  
    //les méthodes
```

## Recherche :

**descente de l'arborescence avec  
comparaison en chaque nœud**

### *EXEMPLE*



## principe de la recherche de l'élément e de clé c dans l'arbre a

*précondition:  $c \in a$*

**recherche(c,a) renvoie String**

**si  $c == a.cle$**

**alors retourner (a.element )**

*//élément de la racine de a*

**sinon**

**si  $c < a.cle$**

**alors retourner (recherche(c, a.gauche))**

**sinon retourner (recherche(c, a.droit))**

**finsi**

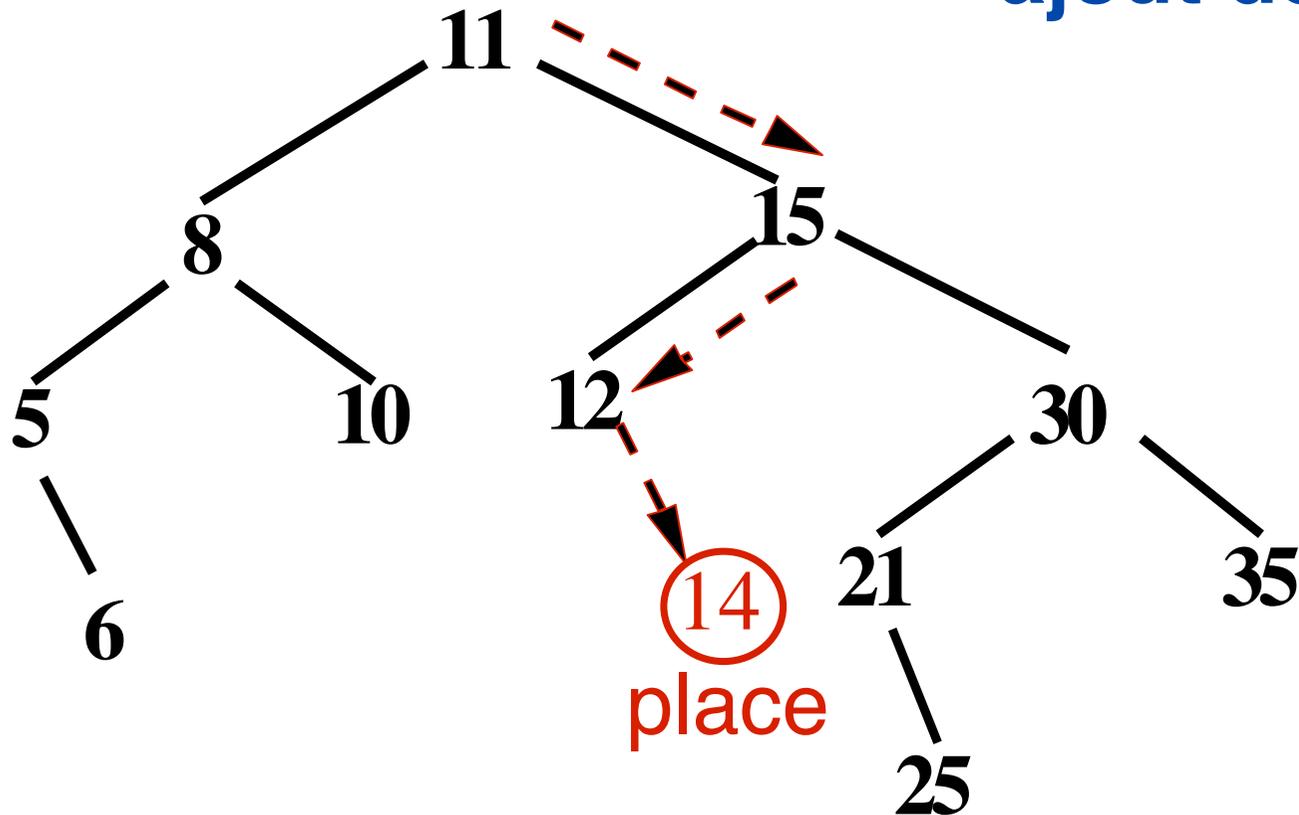
**finsi**

**complexité:  $O(h(a))$**

# ADJONCTION D'UN ELEMENT

*EXEMPLE*

ajout de 14



complexité:  $O(h(a))$

adjonction dans a d'un élément e  
de clé c

**ABR ajouter (ABR a, String e, int c)**

**b=a;**

**si b == null alors b=new ABR (c, e, null, null ) ;**

**sinon tant que non place\_trouvée faire**

**si b.cle == c alors "erreur" //élément déjà présent**

**si b.cle > c**

**alors //descendre à gauche**

**si b.gauche == null alors place\_trouvée=vrai //fils gauche de b**

**b.gauche=new ABR (c, e, null, null ) ;**

**sinon b = b.gauche;**

**finsi;**

**sinon //descendre à droite**

**si b.droit == null alors place trouvée=vrai //fils droit**

**b.droit=new ABR (c, e, null, null ) ;**

**sinon b =b.droit;**

**finsi;**

**finsi;**

**fait;**

**finsi;**

**retourner b;**

## suppression d'un nœud N

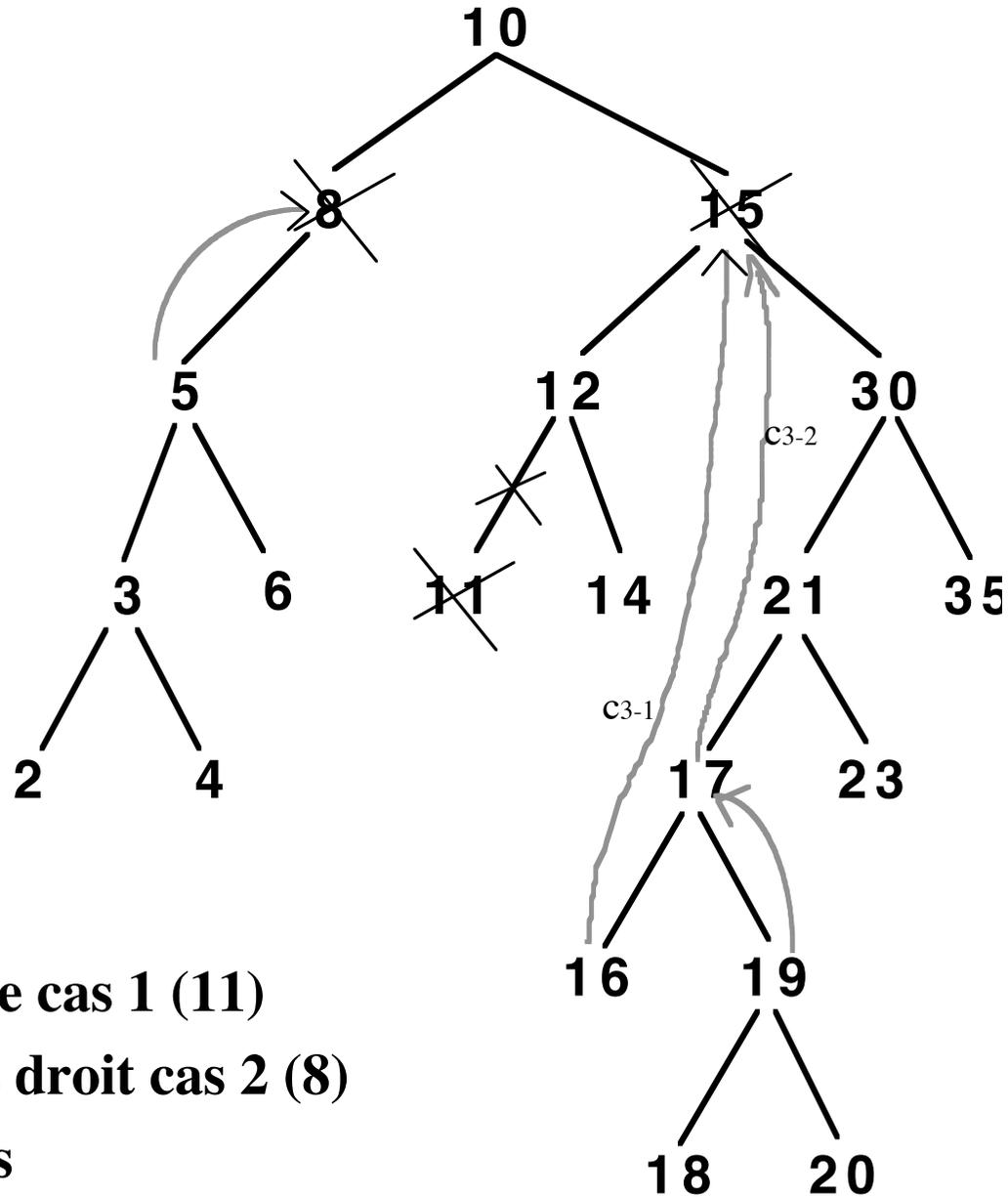
*cas 1: N est une feuille*

*cas 2: N a un seul fils F*

*cas 3: N a 2 fils*

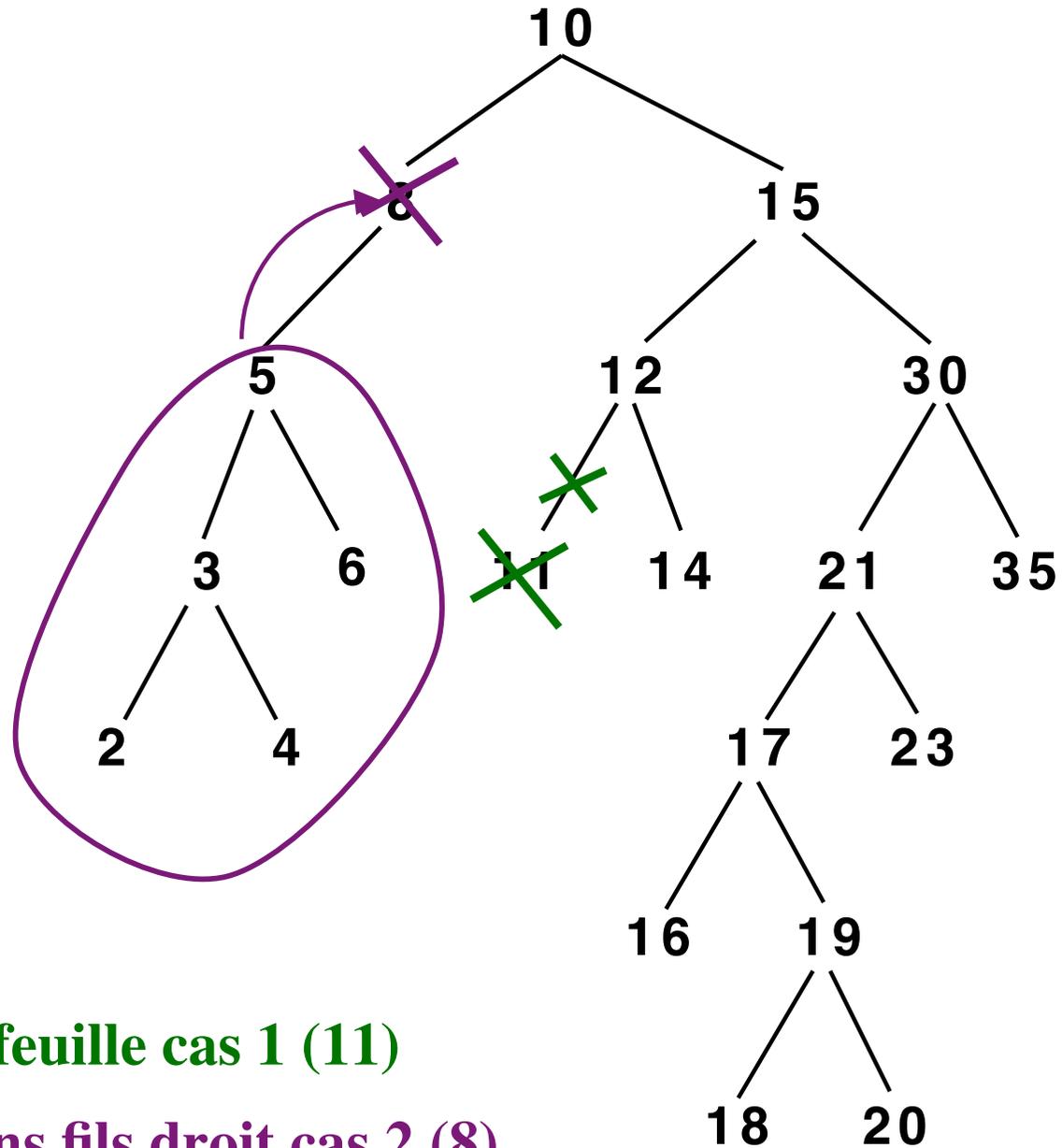
*( 2 cas cas 3-1 cas 3-2)*

# EXEMPLE



- suppression d'une feuille cas 1 (11)
- sup. d'un nœud sans fils droit cas 2 (8)
- sup. de nœuds avec 2 fils
- cas 3-1 (15) puis cas 3-2 (16)

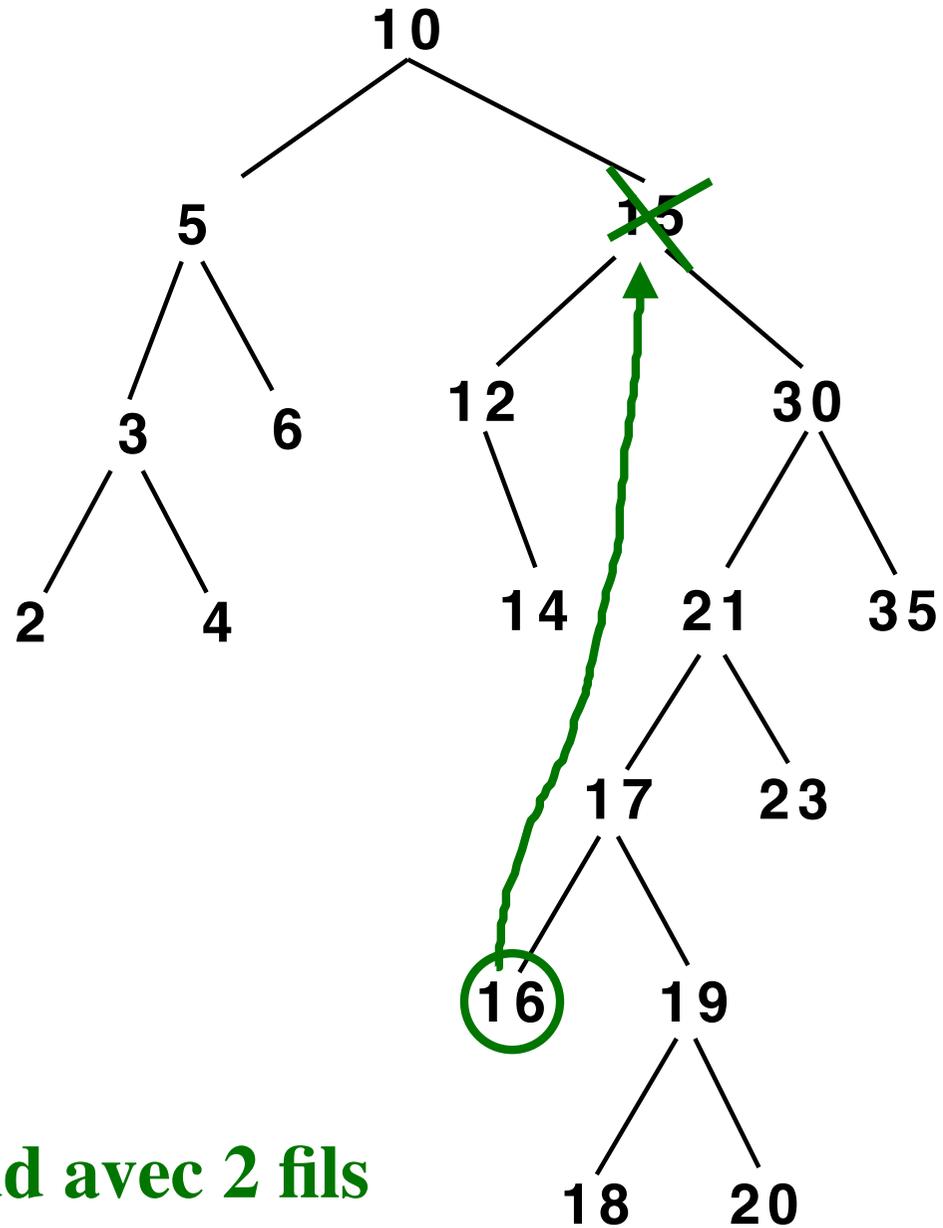
# EXEMPLE



suppression d'une feuille cas 1 (11)

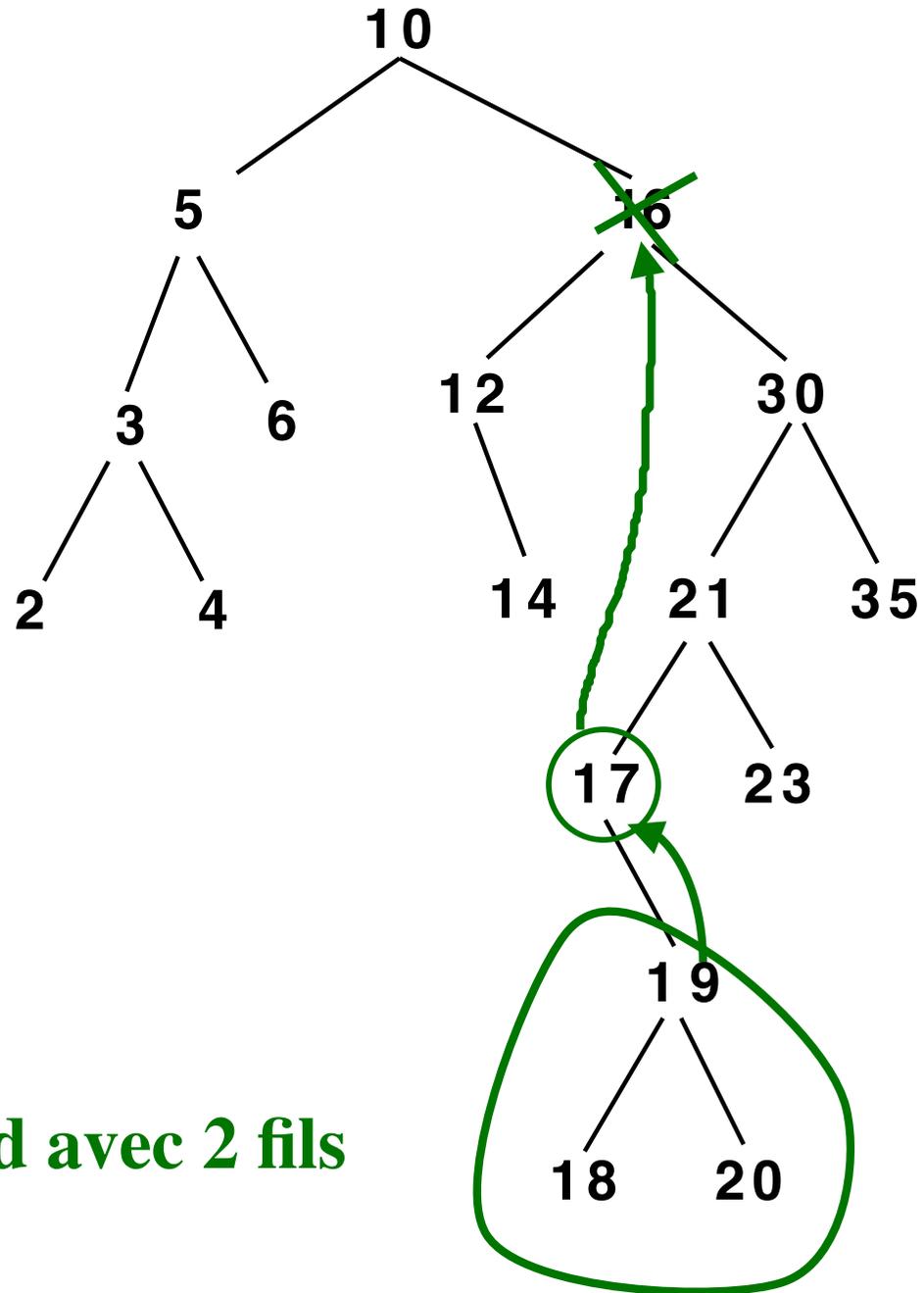
sup. d'un nœud sans fils droit cas 2 (8)

*EXEMPLE*



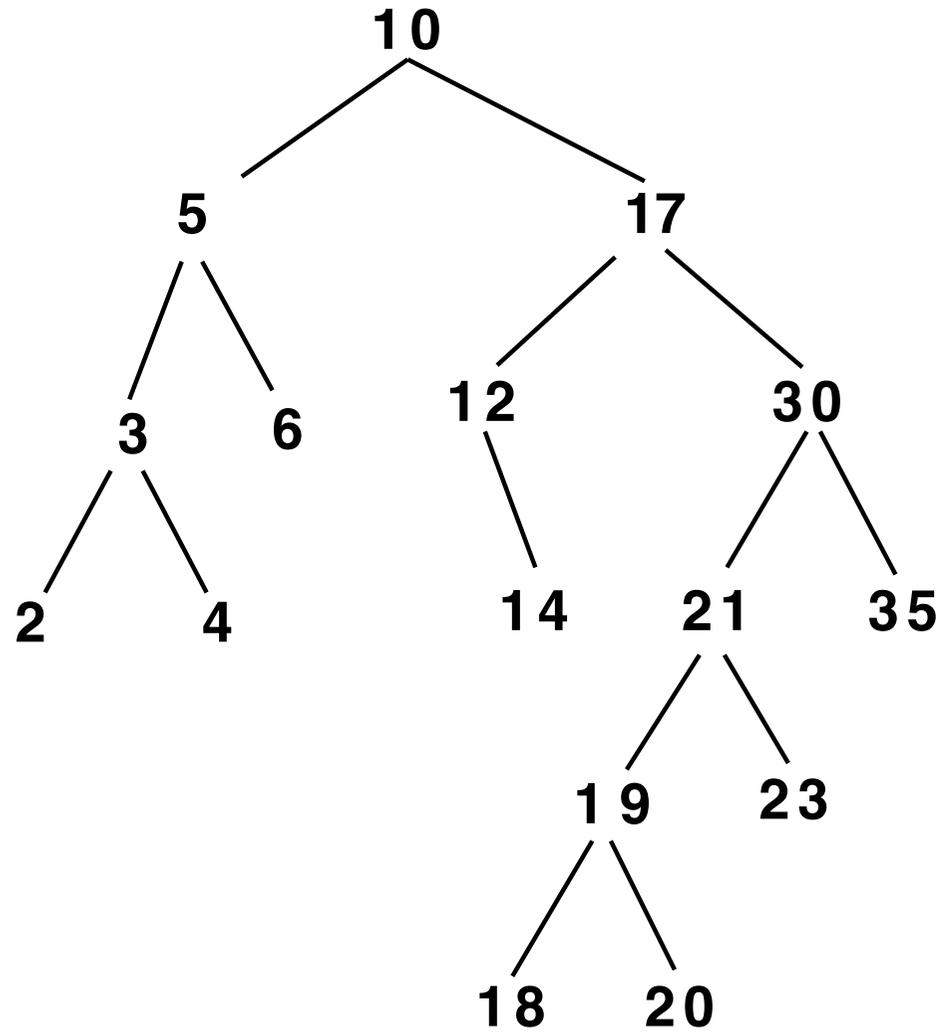
**suppression d'un nœud avec 2 fils  
cas 3-1 (15)**

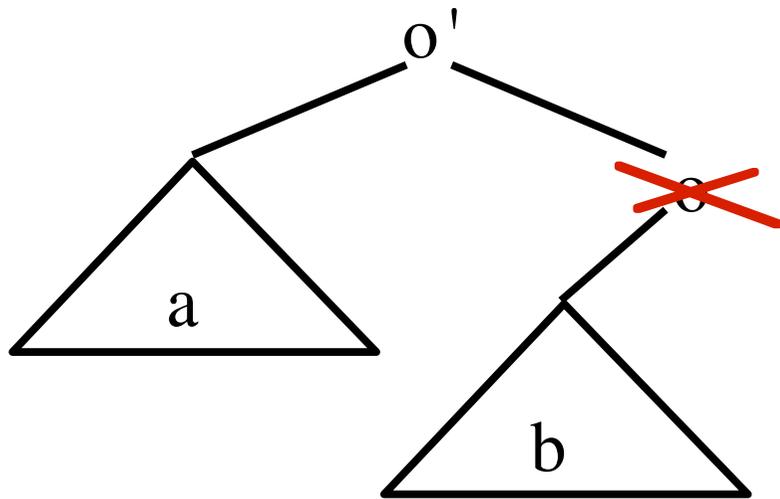
*EXEMPLE*



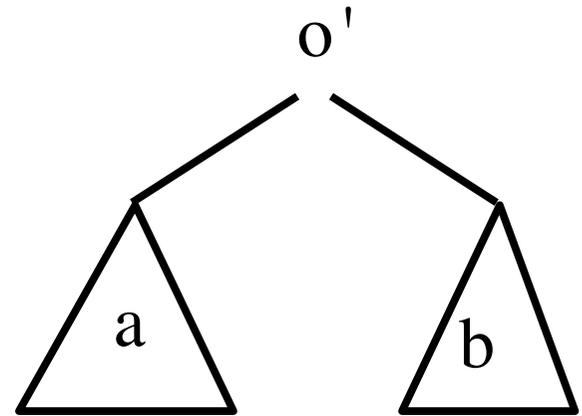
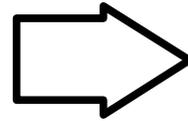
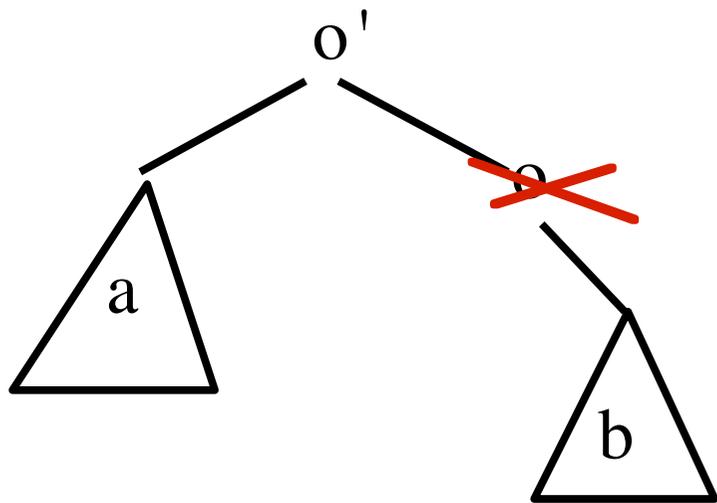
**suppression d'un nœud avec 2 fils  
cas 3-2 (16)**

*EXAMPLE*

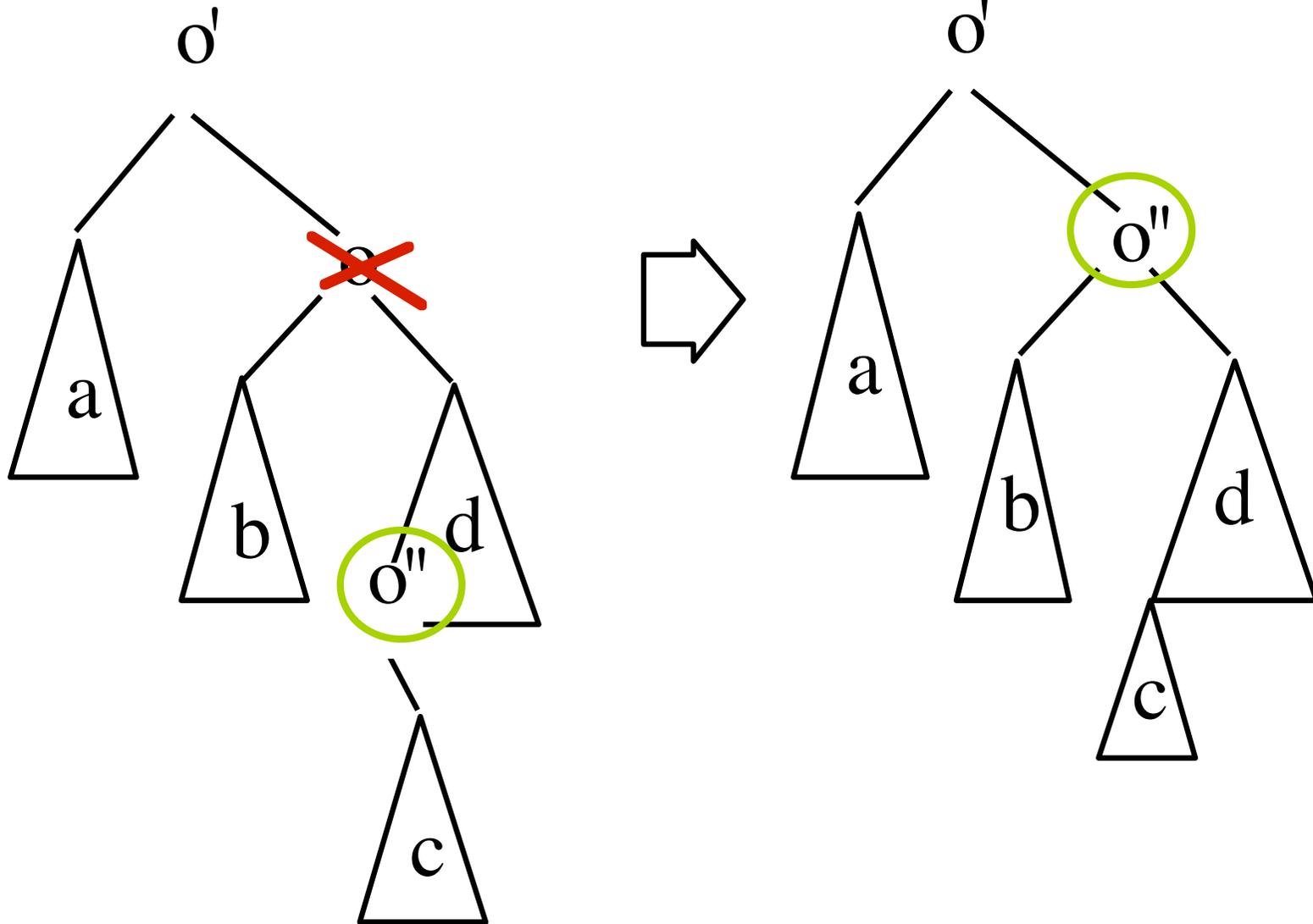




**cas 2**



# Cas 3.2



## suppression d'un nœud N

*cas 1: N est une feuille*

→ suppression simple

*cas 2: N a un seul fils F*

→ F prend la place de N

(remontée du sous-arbre)

*cas 3: N a 2 fils*

→ est remplacé par le nœud de plus petite clé de son sous-arbre de droite

*cas 3-1:* c'est une feuille

*cas 3-2:* ce noeud n'a qu'un fils droit qui prend sa place

cas 3      **a** a 2 fils:

*rechercher le plus petit du sous-arbre de droite*

**f = a.d;**

**tant que f.g ≠ ∅ faire f=f.g fait;**

**a.element = f.element;**

**a.cle=f.cle;** *l'élément de f remplace l'élément supprimé*

**f = f.d;** *si f n'a pas de fils gauche remonter le fils droit de f;*

*f.d = ∅ si f feuille*

**Complexité de la suppression:  $O(h(a))$**

## Conclusion arbre binaire de recherche

- **recherche,  
adjonction,  
suppression**

**complexité:  $O(h(a))$**

**avec  $\log_2 n \leq h(a) \leq n-1$**

**complexité en moyenne:  $O(\log n)$**

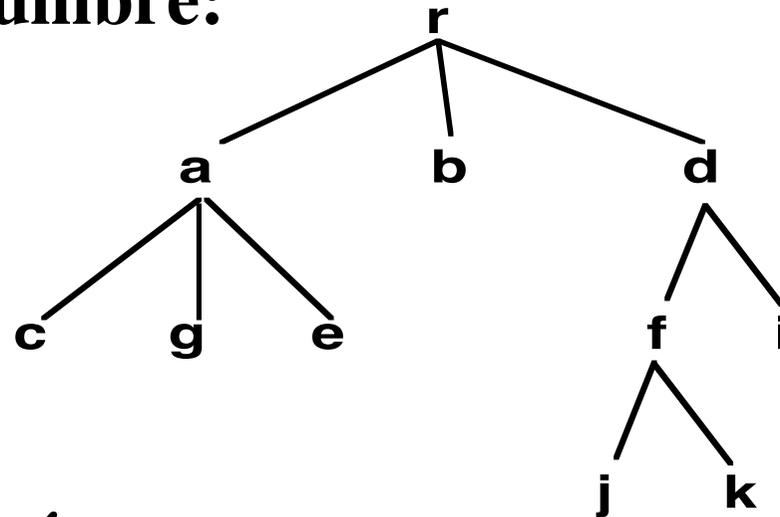
- **problème:**

**éviter les cas défavorables**

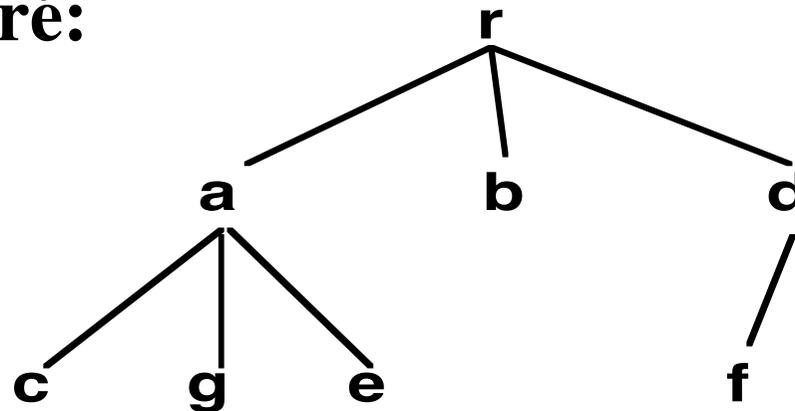
**→ arbres équilibrés**

# équilibre

**arbre non équilibré:**



**arbre équilibré:**



**les feuilles sont sur au plus 2 niveaux**

## 7.2 ARBRES H-EQUILIBRES

**définition:** Arbre tel qu'en tout nœud la différence de hauteur entre les sous-arbres gauche et droit est au plus de 1

**déséquilibre:**

$$\text{déséq}(a) = h(a.g) - h(a.d)$$

$$\text{déséq}(a) = 0 \text{ si } a = \emptyset$$

**arbre H-équilibré**

**pour tout b sous-arbre de a,**

$$\text{déséq}(b) \in \{-1, 0, +1\}$$

arbre H-équilibré  $\Rightarrow \log_2(n+1) \leq h + 1 \leq 1.45 \log_2(n+1)$

## arbre AVL:

**arbre binaire de recherche**

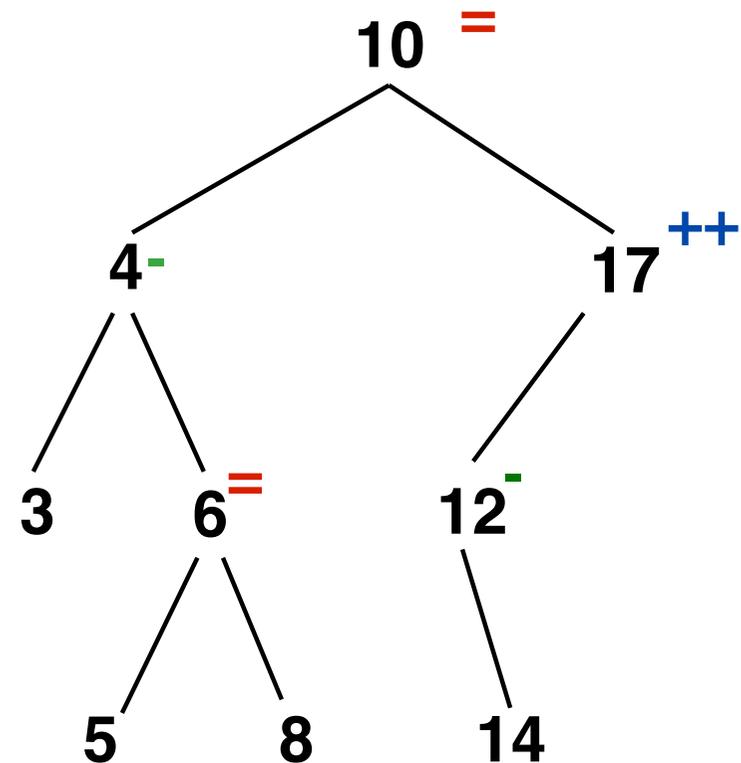
**H-équilibré**

⇒ *la recherche dans un arbre AVL est  
au pire en  $O(\log_2 n)$*

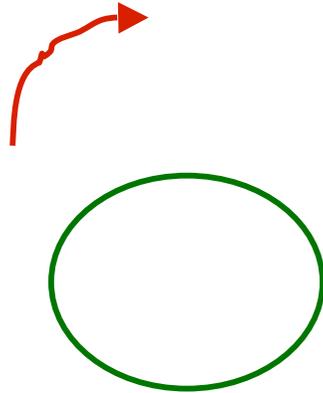
**problème: maintenir l'équilibre**

## notations des déséquilibres:

- =** si  $h(a.g) = h(a.d)$
- si  $h(a.g) = h(a.d) - 1$
- si  $h(a.g) = h(a.d) - 2$
- +** si  $h(a.g) = h(a.d) + 1$
- ++** si  $h(a.g) = h(a.d) + 2$



# exemple de rotation



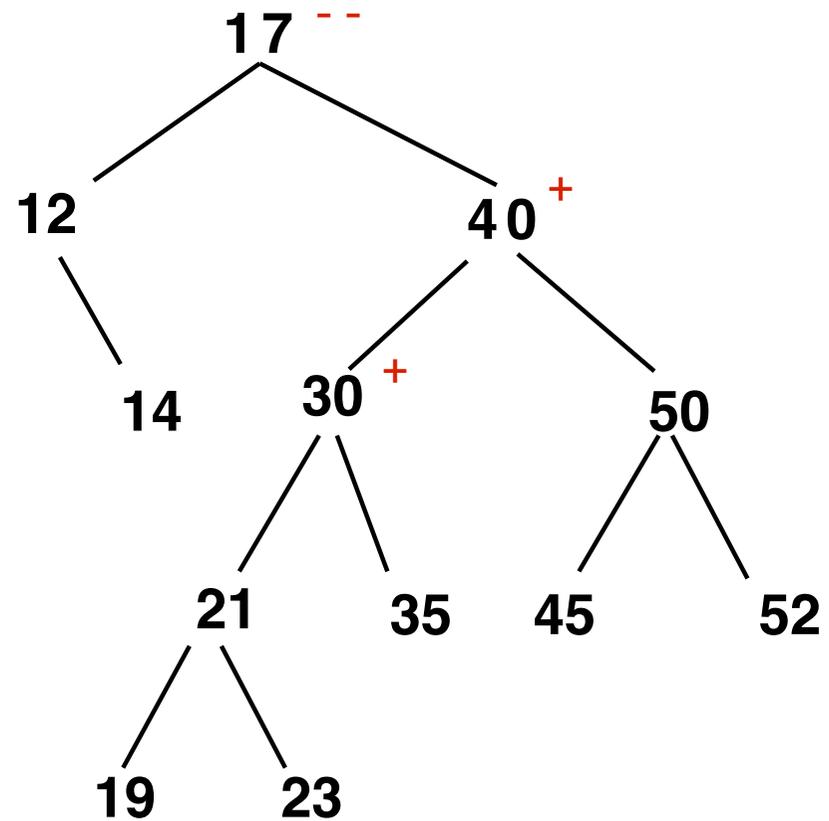
Ré-équilibrage 1

rééquilibrage: rotation à droite

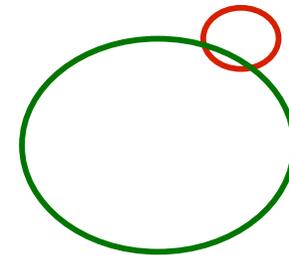
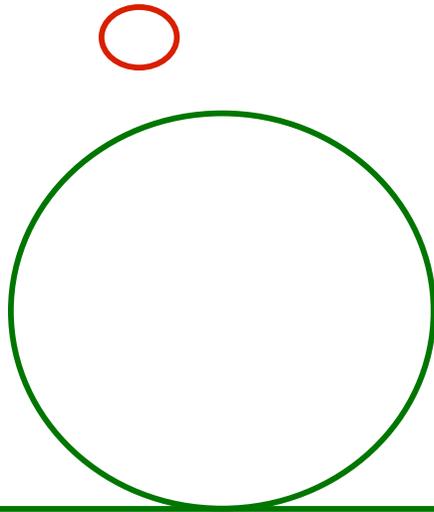
déséquilibre(A)=2, et  
déséquilibre(A.g)=1 ou 0  $\Rightarrow$

rotation à  
droite





**La rotation simple apporte un nouveau déséquilibre:  
double rotation nécessaire**



Ré-équilibrage 2

## rotation gauche-droite

déséq(A)=2, déséq(g(A))= -1  $\Rightarrow$  rotation gauche-droite

## adjonction et suppression

même principe que dans un arbre binaire de recherche mais en rééquilibrant par rotations après l'opération si c'est nécessaire (si a n'est plus H équilibré)

### Dans les arbres AVL

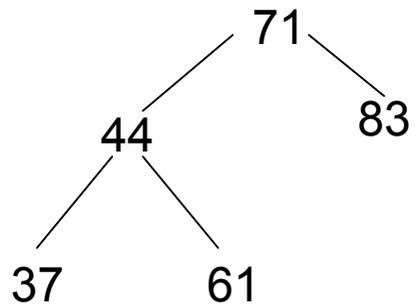
<b>recherche</b>		<b>en <math>O(\log_2 n)</math></b>
<b>adjonction</b>		
<b>suppression</b>		

On constate expérimentalement:

en moyenne 1 rotation pour 2 adjonctions

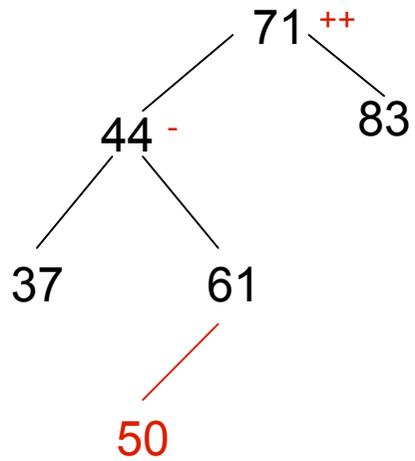
en moyenne 1 rotation pour 5 suppressions

# Exemple



C'est bien un AVL

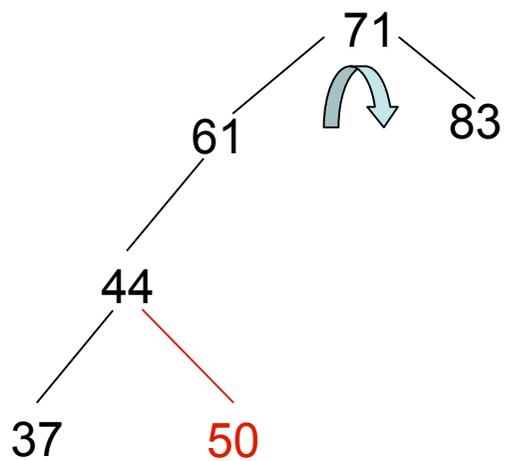
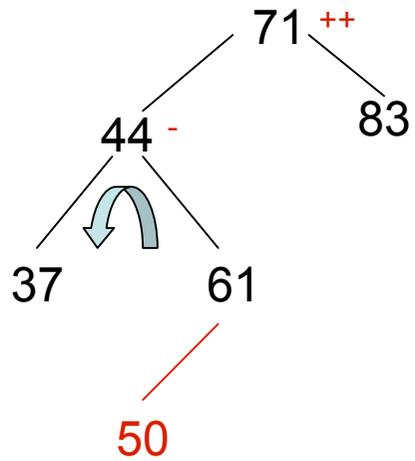
# Exemple



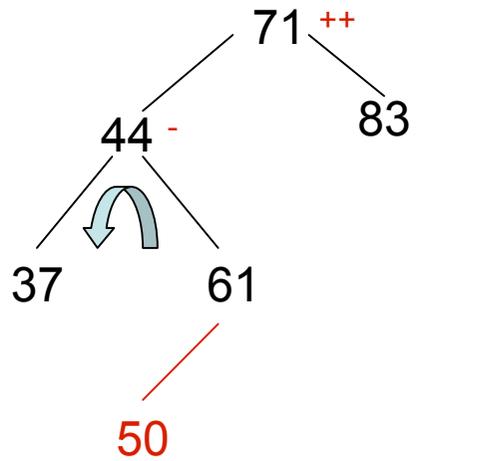
Insertion de 50. **ABR** mais non **AVL**

# Exemple

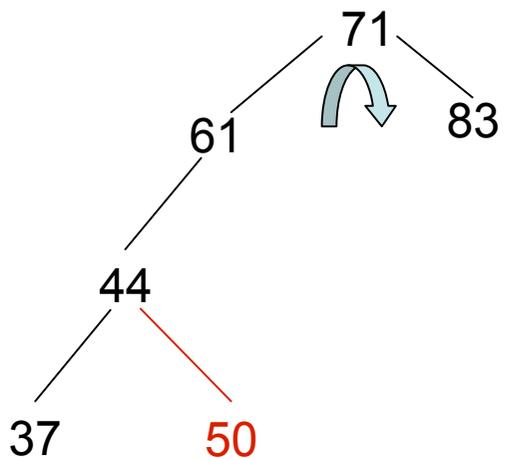
Double rotation gauche puis droite



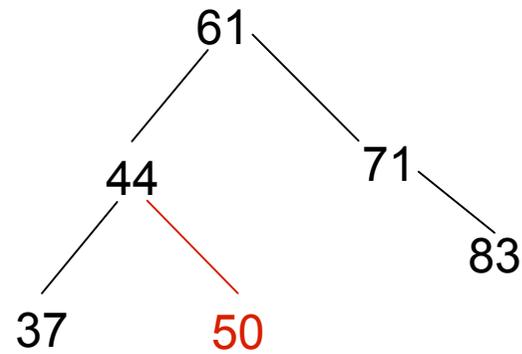
# Exemple



Double rotation gauche puis droite



puis



AVL